

**Дмитриева Л. Н., Чумачкова Е.А., Краснов Я.М., Осина Н. А.,
Зиминова А.А., Иванова А.В., Карнаухов И. Г., Караваева Т.Б.,
Щербакова С. А., Кутырев В. В**

Распространение вариантов вируса SARS-COV-2, вызывающих интерес (VOI) и находящихся под наблюдением (VUM), на основе количества их геномов, депонированных в базу данных GISAID за неделю с 22 по 28 июня 2024 г.

*ФКУН Российский научно-исследовательский противочумный институт
«Микроб» Роспотребнадзора, Саратов, Российская Федерация*

В обзоре представлена информация по циркулирующим в настоящее время вариантам вируса SARS-COV-2 Omicron вызывающих интерес (VOI) и находящихся под наблюдением (VUM), геномные последовательности которых размещены в международной базе данных GISAID за неделю с 22 по 28 июня 2024 г.

По состоянию на 28 июня 2024 г. в соответствии с классификацией ВОЗ к вариантам вируса SARS-COV-2, вызывающих интерес (VOI), отнесены три субварианта: EG.5, BA.2.86 и JN.1. В группу вариантов VUM включены четыре субварианта, а именно JN.1.7, KP.2, KP.3, JN.1.18.

На сегодняшний день в базе данных GISAID всего представлено 16 802 645 геномов вируса SARS-COV-2 (за неделю депонировано 6 155 геномных последовательностей). В мире странами – лидерами по количеству депонированных вируса SARS-CoV-2 остаются США – (5 141 405 геномов – 30,6% от всех размещенных в GISAID) и Великобритания (3 159 556 геномов – 18,8%).

Всего в базу данных GISAID депонировано 9 287 571 геном варианта Omicron, за анализируемую неделю размещено еще 6 155 геномных последовательностей – 100% от всех представленных за текущую неделю геновариантов вируса SARS-CoV-2 (на прошлой неделе – 99%). Российскими лабораториями размещено 86 923 генома вируса SARS-COV-2, в том числе варианта Omicron – 54 502 геномные последовательности.

На сегодняшний день в базе данных GISAID зафиксировано депонирование варианта Omicron из 215 стран и территорий (на предыдущей неделе – 215): Австралия, Австрия, Азербайджан, Албания, Алжир, Американское Самоа, Андорра, Ангола, Антигуа и Барбуда, Ангилья, Аргентина, Армения, Аруба, Афганистан, Бангладеш, Барбадос, Бахрейн, Беларусь, Бельгия, Бермудские Острова, Белиз, Бенин, Болгария, Боливия, Ботсвана, Босния и Герцеговина, Бонайре, Бразилия, Бруней, Британские Виргинские острова, Бутан, Бурунди, Буркина-Фасо, Великобритания, Венесуэла, Венгрия, Виргинские Острова (США), Вьетнам, Гана, Гаити, Гамбия, Гайана, Гваделупа, Гватемала, Гвинея, Германия, Гибралтар, Гондурас, Гонконг, Гренада, Греция, Грузия, Гуам, Габон, Дания, Джибути, Доминиканская Республика, Доминика, ДРК Демократическая Республика Восточный Тимор, Демократическая Республика Сан-Томе и Принсипи, Египет, Замбия, Зимбабве, Израиль, Индия, Индонезия, Иордания, Ирак, Иран, Ирландия, Исландия, Испания, Италия, Кабо-Верде, Казахстан, Каймановы Острова, Камбоджа, Камерун, Канада, Катар, Кения, Кипр, Китай,

Кирибати, Колумбия, Косово, Коста-Рика, Кот-д'Ивуар, Куба, Кувейт, Кыргызстан, Кюрасао, Лаос, Латвия, Либерия, Ливан, Ливия, Лихтенштейн, Литва, Лесото (Королевство Лесото), Люксембург, Мадагаскар, Маврикий, Мавритания, Макао, Малави, Малайзия, Мальдивы, Мальта, Мали, Марокко, Мартиника, Маршалловы Острова, Майотта, Мексика, Мозамбик, Молдова, Монако, Монголия, Монтсеррат, Мьянма, Микронезия, Намибия, Нидерланды, Нигер, Нигерия, Непал, Независимое государство Самоа, Ниуэ, Норвегия, Новая Зеландия, Новая Каледония, Никаргуа, Оман, ОАЭ, Острова Кука, Пакистан, Палестина, Панама, Палау, Парагвай, Папуа Новая Гвинея, Перу, Португалия, Польша, Пуэрто-Рико, Реюньон, Республика Конго, Республика Сейшельские Острова, Республика Гвинея-Бисау, Респблика Вануту, Румыния, Россия, Руанда, Сальвадор, Сен-Мартен, Синт-Мартен, Саудовская Аравия, Северная Македония, Северные Марианские острова, Сенегал, Союз Коморских Островов, Сьерра-Леоне, Словакия, Словения, Сингапур, Сирия, США, Сент-Китс и Невис, Сент-Винсент и Гренадины, Сент-Люсия, Синт-Мартен, Содружество Багамских Островов, Сомали, Судан, Таиланд, Тайвань, Танзания, Теркс и Кайкос, Того, Тонга, Тринидад и Тобаго, Тунис, Турция, Уганда, Узбекистан, Украина, Уругвай, Финляндия, Франция, Французская Гвиана, Французская Полинезия, Филиппины, Хорватия, Черногория, Чехия, Чили, Чад, ЦАР, Швеция, Швейцария, Шри-Ланка, Эквадор, Эстония, Эсватини, Эфиопия, Экваториальная Гвинея, ЮАР, Южная Корея, Южный Судан, Япония, Ямайка.

За последние 4 недели 31 страна (14,4%) (за предыдущие – 38 стран (17,7%)) дополнили данные о депонировании геномных последовательностей Omicron в GISAID. Среди циркулирующих в настоящее время штаммов SARS-CoV-2 в мире, доминируют сублинии варианта BA.2.86: JN.1, KP.3.1, KP.2, KP.1.1 и KP.3.2. Динамика распространения в мире субвариантов Omicron секвенированных и загруженных в базу данных GISAID представлена на рисунке 1.

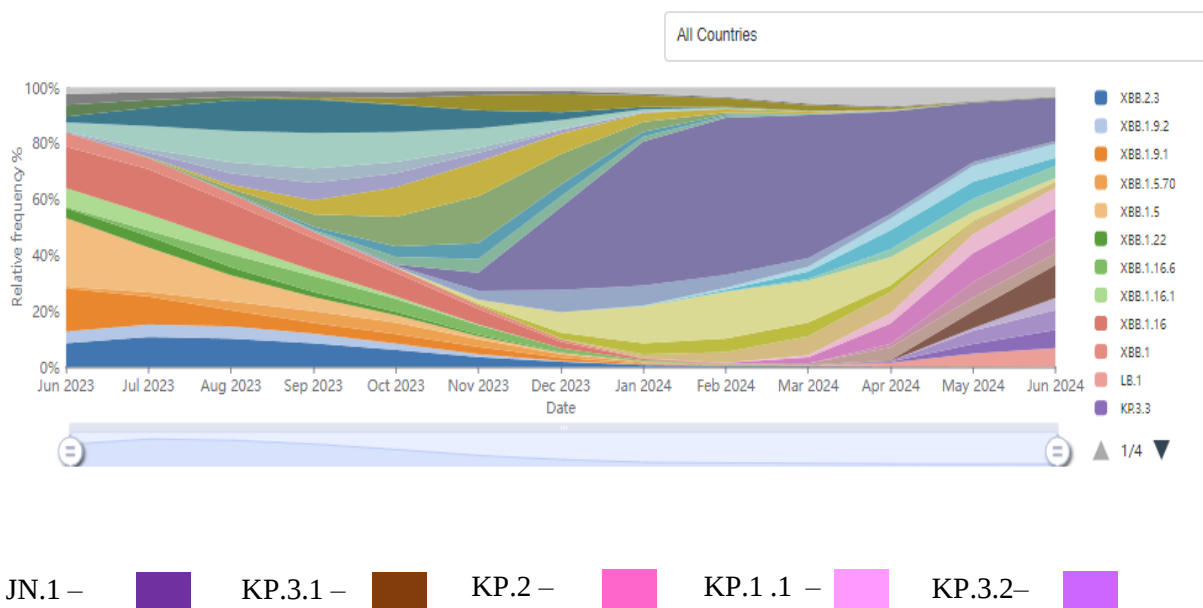


Рисунок 1. Распространение субвариантов Omicron в мире
(по состоянию на 28 июня 2024 г., <https://www.epicov.org/epi3/frontend#1ce2f3>)

Варианты, вызывающие интерес (VOI)

По состоянию на 28 июня 2024 г. распространение субварианта EG.5 оценивается на уровне 0,2%, BA.2.86 – 0,4%.

В базу данных GISAID EpiCoV последовательности, относящиеся к EG.5 (Eris) секвенированы лабораториями 112 стран (за последние 4 недели – 2 генома из Канады и Великобритании). Субвариант BA.2.86 (Pirola) циркулирует в 101 стране, за последние 4 недели в базу данных GISAID депонировано 17 геномных последовательностей из 7 стран (Великобритания, США, Испания, Италия, Эквадор, Черногория, Доминиканская Республика).

Геномные последовательности субварианта JN.1 представлены из 133 стран, распространенность в мире снизилась до 17%.

Варианты, находящиеся под наблюдением (VUM)

С момента идентификации в базе данных GISAID геномные последовательности субварианта JN.1.7 депонированы из 54 стран, всего 6 320 геномов (из США – 2 734, Великобритании – 1 044, Канады – 723).

Субвариант JN.1.18 секвенирован в 71 стране (2 629 последовательностей), распространенность в мире составила 0,5%.

Субвариант KP.2 циркулирует, как минимум, в 49 странах, депонировано 7 868 геномов, преимущественно из США, Великобритании, Сингапура, Канады, Австралии, Индии, Испании, Новой Зеландии, Франции, Японии, Ирландии. Распространенность субварианта зарегистрирована в Сингапуре на уровне 58,3%, Исландии – 27,9%, Великобритании – 22%, США – 20,8%, Канаде – 20,3%.

Субвариант KP.3 секвенирован лабораториями 37 стран, в GISAID размещено 8 180 геномных последовательностей. Субвариант доминирует в США, его удельный вес среди секвенированных штаммов составляет 33,1%.

Информация по обновленным данным о депонированных геномах вируса SARSCOV- 2 варианта **Omicron** (B.1.1.529+BA.*) в базе GISAID дана в таблице 1.

Таблица 1 – Количество депонированных геномов вариантов вируса SARS-CoV-2 Omicron (B.1.1.529+BA.*) в базе GISAID

Страна	Учреждение, проводившее секвенирование	Количество депонированных геномов Omicron (B.1.1.529)	В том числе количество геномов Omicron, депонированных за последние 4 недели (01.06. – 28.06.2024 г.)	Процент геномов, относящихся к варианту Omicron (B.1.1.529), депонированных за последние 4 недели
Австралия (стабилизация заболеваемости)	NSW Health Pathology – Institute of Clinical Pathology and Medical Research; Westmead Hospital; University of Sydney	179858	347	100,0
Австрия (стабилизация заболеваемости)	Bergthaler laboratory, CeMM Research Center for Molecular Medicine of the Austrian Academy of Sciences	194360	0	0,0
Азербайджан (стабилизация заболеваемости)	National Hematology and Transfusiology Center	57	0	0,0
Албания (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Virus Unit, National Infection Service, Public Health England	1018	0	0,0
Алжир (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	740	0	0,0
Американские Виргинские острова (стабилизация заболеваемости)	UW Virology Lab	1451	0	0,0
Американское Самоа (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	157	0	0,0
Ангилья (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	54	0	0,0

Ангола (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform	169	0	0,0
Андорра (стабилизация заболеваемости)	Instituto de Salud Carlos III	323	0	0,0
Антигуа и Барбуда (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies, St Augustine Campus	131	0	0,0
Аргентина (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional Enfermedades Infecciosas C.G.Malbran	10501	0	0,0
Армения (стабилизация заболеваемости)	Institute of Molecular Biology NAS RA, Republic of Armenia, Department of Bioengineering, Bioinformatics Institute and Molecular Biology IBMPH RAU, Republic of Armenia	17	0	0,0
Аруба (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	1060	0	0,0
Афганистан (стабилизация заболеваемости)	Central Public Health Lab	22	0	0,0
Багамские острова (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Respiratory Viruses and Measles, Oswaldo Cruz Institute, FIOCRUZ	109	0	0,0
Бангладеш (стабилизация заболеваемости)	Child Health Research Foundation	2358	0	0,0
Барбадос (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Building 36, First Floor Biochemistry Unit, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	278	0	0,0
Бахрейн (стабилизация заболеваемости)	Communicable Disease Laboratory, Public Health Directorate	7501	0	0,0
Беларусь (стабилизация заболеваемости)	Laboratory for HIV and opportunistic infections diagnosis The Republican Research and Practical Center for Epidemiology and Microbiology(RRPCEM)	120	0	0,0

Белиз (стабилизация заболеваемости)	Texas Children's Microbiome Center	703	0	0,0
Бельгия (пост заболеваемости)	KU Leuven, Rega Institute, Clinical and Epidemiological Virology	99932	0	0,0
Бенин (стабилизация заболеваемости)	Institut für Virologie – Institute of Virology – Charite	518	0	0,0
Бермудские острова (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Virus Unit, National Infection Service, Public Health England	210	0	0,0
Болгария (стабилизация заболеваемости)	National Center of Infectious and Parasitic Diseases	7927	0	0,0
Боливия (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Respiratory Viruses and Measles, Oswaldo Cruz Institute, FIOCRUZ	323	0	0,0
Бонэйр (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	1081	0	0,0
Босния и Герцеговина (стабилизация заболеваемости)	University of Sarajevo, Veterinary Faculty, Laboratory for Molecular Diagnostic and Research Laboratory	263	0	0,0
Ботсвана (стабилизация заболеваемости)	Botswana Institute for Technology Research and Innovation	3455	0	0,0
Бразилия (стабилизация заболеваемости)	Instituto Adolfo Lutz, Interdisciplinary Procedures Center, Strategic Laboratory	128028	0	0,0
Британские Виргинские Острова (стабилизация заболеваемости)	Caribbean Public Health Agency	46	0	0,0
Бруней (стабилизация заболеваемости)	National Public Health Laboratory, National Centre for Infectious Diseases(National Virology Reference Laboratory)	6411	0	0,0
Бутан (стабилизация заболеваемости)	AFRIMS	100	0	0,0
Буркина-Фасо (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire bacteriologie virologie CHUSS	87	0	0,0

Бурунди (стабилизация заболеваемости)	MRC/UVRI & LSHTM Uganda Research Unit, National Institute of Public Health	93	0	0,0
Великобритания (стабилизация заболеваемости)	COVID-19 Genomics UK (COG-UK) Consortium. Wellcome Sanger Institute for the COVID-19 Genomics UK (COG-UK) consortium.	1531111	1376	100,0
Венгрия (стабилизация заболеваемости)	National Laboratory of Virology, Szentágotthai Research Centre	674	0	0,0
Венесуэла (стабилизация заболеваемости)	Laboratorio de Virología Molecular	952	14	100,0
Вьетнам (стабилизация заболеваемости)	National Influenza Center, National Institute of Hygiene and Epidemiology(NIHE)	6679	0	0,0
Габон (стабилизация заболеваемости)	Centre de recherches médicales de Lambaréné(CERMEL)	2	0	0,0
Гаити (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire National de Santé Publique – LNSP(HAITI – LNSP)	490	0	0,0
Гайана (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	102	0	0,0
Гамбия (стабилизация заболеваемости)	MRCG at LSHTM Genomics lab	333	0	0,0
Гана (стабилизация заболеваемости)	Department of Biochemistry, Cell and Molecular Biology, West African Centre for Cell Biology of Infectious Pathogens(WACCBIP), University of Ghana	2465	0	0,0
Гваделупа (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	700	0	0,0
Гватемала (стабилизация заболеваемости)	Asociación de Salud Integral/Clinica Familiar Luis Ángel García	4553	0	0,0
Гвинея (стабилизация заболеваемости)	Centre de Recherche et de Formation en Infectiologie Guinée	536	0	0,0
Гвинея-Бисау (стабилизация заболеваемости)	MRCG at LSHTM, Genomics lab	20	0	0,0

Германия (пост заболеваемости)	Charité Universitätsmedizin Berlin, Institut für Virologie. Institute of infectious medicine & hospital hygiene, CaSe-Group.	584413	11	100,0
Гибралтар (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Virus Unit, National Infection Service, Public Health England	122	0	0,0
Гондурас (стабилизация заболеваемости)	Genomics and Proteomics Departament, Gorgas Memorial Institute For Health Studies	271	0	0,0
Гонконг (стабилизация заболеваемости)	Hong Kong Department of Health	16182	16	100,0
Гренада	WINDREF/SGU Laboratory	112	0	0,0
Греция (стабилизация заболеваемости)	Greek Genome Center, Biomedical Research Foundation of the Academy of Athens(BRFAA)	26020	0	0,0
Грузия (стабилизация заболеваемости)	Department for Virology, Molecular Biology and Genome Research, R. G. Lugar Center for Public Health Research, National Center for Disease Control and Public Health(NCDC) of Georgia.	2630	0	0,0
Гуам (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	518	0	0,0
Дания (стабилизация заболеваемости)	Albertsen lab, Department of Chemistry and Bioscience, Aalborg University. Department of Virus and Microbiological Special Diagnostics, Statens Serum Institut.	389641	1	100,0
Доминика (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies, St Augustine Campus	10	0	0,0
Доминиканская Республика (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Viruses Branch, Centers for Disease Control and Prevention, USA	2172	19	100,0
Демократическая Республика Конго (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Sequencing Lab, National Institute for Biomedical Research(INRB)	597	0	0,0

ДР Сент Томе и Принсипи (стабилизация заболеваемости)	LNR-TB	1	0	0,0
Египет (стабилизация заболеваемости)	Main Chemical Laboratories Egypt Army	2793	0	0,0
Замбия (стабилизация заболеваемости)	University of Zambia, School of Veterinary Medicine	1272	0	0,0
Зимбабве (стабилизация заболеваемости)	National Microbiology Reference Laboratory(Quadram Institute Bioscience)	316	0	0,0
Израиль (стабилизация заболеваемости)	Central Virology Laboratory, Israel Ministry of Health	121307	142	100,0
Индия (стабилизация заболеваемости)	Department of Neurovirology, National Institute of Mental Health and Neurosciences(NIMHANS).CSIR–Centre for Cellular and Molecular Biology	148290	6	100,0
Индонезия (стабилизация заболеваемости)	National Institute of Health Research and Development	41249	6	100,0
Иордания (стабилизация заболеваемости)	Andersen lab at Scripps Research, CA, USA	293	0	0,0
Ирак (стабилизация заболеваемости)	Biology, College of Education Department of Virology, Faculty of Medicine, University of Helsinki, Helsinki, Finland generated and submitted to GISAID	431	0	0,0
Иран (стабилизация заболеваемости)	National Reference Laboratory for COVID–19, Pasteur Institute of Iran	2875	0	0,0
Ирландия (стабилизация заболеваемости)	National Virus Reference Laboratory	63023	222	100,0
Исландия (стабилизация заболеваемости)	Landspítali Department of Clinical Microbiology	11773	61	100,0
Испания (стабилизация заболеваемости)	Hospital Universitario 12 de Octubre	152767	897	100,0
Италия (стабилизация заболеваемости)	Army Medical Center, Scientific Department, Virology Laboratory	99670	19	100,0

Кабо–Верде (стабилизация заболеваемости)	Institut Pasteur de Dakar	772	0	0,0
Казахстан (стабилизация заболеваемости)	Reference laboratory for the control of viral infections	2839	0	0,0
Камбоджа (стабилизация заболеваемости)	Virology Unit, Institut Pasteur du Cambodge	2078	14	100,0
Камерун (стабилизация заболеваемости)	CREMER(Centre de Recherches sur les Maladies Emergentes et Ré–émergentes)	1348	0	0,0
Канада (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de santé publique du Québec	372658	1302	100,0
Каймановы острова	Cayman Islands Molecular Biology Laboratory	286	0	0,0
Катар (стабилизация заболеваемости)	Biomedical Research Center(BRC), Qatar University / Qatar Genome Project(QGP)	1718	0	0,0
Кения (стабилизация заболеваемости)	KEMRI–Wellcome Trust Research Programme/KEMRI–CGMR–C Kilifi	6304	0	0,0
Кипр (стабилизация заболеваемости)	Department of Molecular Virology, Cyprus Institute of Neurology and Genetics	4425	0	0,0
Китай (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Viral Disease Control and Prevention	78043	154	100,0
Колумбия (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional de Salud– Dirección de Investigación en Salud Pública	16129	0	0,0
Коморские острова (стабилизация заболеваемости)	KEMRI–Wellcome Trust Research Programme/KEMRI–CGMR–C Kilifi	11	0	0,0
Косово (стабилизация заболеваемости)	Charité Universitätsmedizin Berlin, Institut für Virologie	946	0	0,0
Коста–Рика (стабилизация заболеваемости)	Inciensa, Instituto Costarricense de Investigación y Enseñanza en Nutrición y Salud	10293	0	0,0
Кот Д'Ивуар (стабилизация заболеваемости)	Molecular diagnostic unit for viral haemorrhagic fevers and emerging viruses, Bouaké CHU Laboratory	310	0	0,0
Куба (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Infections Laboratory	645	0	0,0

Кувейт (стабилизация заболеваемости)	Virology Unit, Department of Microbiology, Faculty of Medicine, Kuwait	1038	9	100,0
Кыргызстан (стабилизация заболеваемости)	SRC VB “Vector”, “Collection of microorganisms” Department	45	0	0,0
Кюрасао (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	1312	0	0,0
Лаос (стабилизация заболеваемости)	LOMWRU/Microbiology Laboratory, Mahosot Hospital	1067	0	0,0
Латвия (стабилизация заболеваемости)	Latvian Biomedical Research and Study Centre	14445	0	0,0
Лесото (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service	155	0	0,0
Либерия (стабилизация заболеваемости)	Center for Infection and Immunity, Columbia University	68	0	0,0
Ливан (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Molecular Biology and Cancer Immunology, Lebanese University Public Health England	1015	0	0,0
Ливия (стабилизация заболеваемости)	Reference Lab for Public Health, NCDC	31	0	0,0
Литва (стабилизация заболеваемости)	Vilnius University Hospital Santaros Klinikos, Center of Laboratory Medicine	13447	0	0,0
Лихтенштейн (стабилизация заболеваемости)	Bergthaler laboratory, CeMM Research Center for Molecular Medicine of the Austrian Academy of Sciences	1383	0	0,0
Люксембург (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire national de santé, Microbiology, Microbial Genomics Platform	38121	0	0,0
Макао (стабилизация заболеваемости)	Centro de Sequenciamento Genômico	1	0	0,0
Маврикий (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	8049	0	0,0
Мавритания (стабилизация заболеваемости)	INRSP-Mauritania	7	0	0,0

Майотта (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	375	0	0,0
Малайзия (стабилизация заболеваемости)	Institute for Medical Research, Infectious Disease Research Centre, National Institutes of Health, Ministry of Health Malaysia	35901	6	100,0
Малави (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform	283	0	0,0
Мали (стабилизация заболеваемости)	Northwestern University – Center for Pathogen Genomics and Microbial Evolution	160	0	0,0
Мальдивы (стабилизация заболеваемости)	Indira Gandhi Memorial Hospital	333	0	0,0
Мальта (стабилизация заболеваемости)	Molecular Diagnostics Pathology Department Mater Dei Hospital Malta	163	0	0,0
Маршалловы острова (стабилизация заболеваемости)	State Laboratories Division, Hawaii State Department of Health	42	0	0,0
Марокко (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de Biotechnologie	1692	0	0,0
Мартиника (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	1543	0	0,0
Мексика (стабилизация заболеваемости)	Instituto de Diagnóstico y Referencia Epidemiológicos (INDRE)	48087	0	0,0
Мозамбик (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform, South Africa	801	0	0,0
Молдавия (стабилизация заболеваемости)	ONCOGENE LLC	699	0	0,0
Монако (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	19	0	0,0
Монголия (стабилизация заболеваемости)	National Centre for Communication Disease (NCCD) National Influenza Center	1069	0	0,0
Монтсеррат (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	12	0	0,0

Мьянма (стабилизация заболеваемости)	DSMRC	191	0	0,0
Намибия (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service	877	0	0,0
Непал (стабилизация заболеваемости)	Molecular and Genomics Research Lab, Dhulikhel Hospital, Kathmandu University Hospital School of Public Health, The University of Hong Kong	1338	0	0,0
Нигер (стабилизация заболеваемости)	National Reference Laboratory, Nigeria Centre for Disease Control	128	0	0,0
Нигерия (стабилизация заболеваемости)	African Centre of Excellence for Genomics of Infectious Diseases(ACEGID), Redeemer's University	3506	0	0,0
Нидерланды (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	85681	39	100,0
Ниуэ	Institute of Environmental Science and Research (ESR)	39	0	0,0
Новая Зеландия (рост заболеваемости)	Institute of Environmental Science and Research(ESR)	41536	0	0,0
Новая Каледония (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de Microbiologie Centre Hospitalier Territorial de Nouvelle-Calédonie	96	0	0,0
Норвегия (стабилизация заболеваемости)	Norwegian Institute of Public Health, Department of Virology	36366	0	0,0
ОАЭ (стабилизация заболеваемости)	Wellcome Sanger Institute for the COVID-19 Genomics UK(COG-UK) Consortium	734	0	0,0
Оман (стабилизация заболеваемости)	Oman-National Influenza Center	790	0	0,0
Острова Кука	Institute of Environmental Science and Research (ESR)	189	0	0,0
Пакистан (стабилизация заболеваемости)	Department of Virology, Public Health Laboratories Division	3617	0	0,0
Палау (стабилизация заболеваемости)	Can Ruti SARS-CoV-2 Sequencing Hub (HUGTiP/IrsiCaixa/IGTP)	74	0	0,0

Палестина (стабилизация заболеваемости)	Biochemistry and Molecular Biology Department– Faculty of Medicine, Al–Quds University	117	0	0,0
Панама (стабилизация заболеваемости)	Gorgas memorial Institute For Health Studies	3343	1	100,0
Папуа Новая Гвинея (стабилизация заболеваемости)	Queensland Health Forensic and Scientific Services	924	0	0,0
Парагвай (стабилизация заболеваемости)	Laboratorio Central de Salud Publica de Paraguay	2448	0	0,0
Перу (стабилизация заболеваемости)	Laboratorio de Referencia Nacional de Biotecnología y Biología Molecular. Instituto Nacional de SaludPerú	39696	0	0,0
Польша (стабилизация заболеваемости)	genXone SA, Research & Development Laboratory	47281	0	0,0
Португалия (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional de Saude(INSA)	24691	0	0,0
Пуэрто Рико (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	21088	94	100,0
Республика Вануату (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit - Public Health Laboratory (MDU-PHL)	100	0	0,0
Республика Джибути (стабилизация заболеваемости)	Naval Medical Research Center Biological Defense Research Di–rectorate	633	0	0,0
Республика Кирибати (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit - Public Health Laboratory (MDU-PHL)	136	0	0,0
Республика Конго (стабилизация заболеваемости)	Institute of Tropical Medicine	216	0	0,0
Республика Мадагаскар (стабилизация заболеваемости)	Virology Unit, Institut Pasteur de Madagascar	57	0	0,0

Республика Никарагуа (стабилизация заболеваемости)	MSHS Pathogen Surveillance Program, CNDR, Departamento de Virología	335	0	0,0
Республика Сальвадор (стабилизация заболеваемости)	Genomics and Proteomics Departament, Gorgas Memorial Institute For Health Studies	618	0	0,0
Республика Чад (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Genomics Lab, National Institute for Biomedical Research (INRB),	28	0	0,0
Реюньон (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	12132	0	0,0
Россия (стабилизация заболеваемости)	WHO National Influenza Centre Russian Federation. Center for Precision Genome Editing and Genetic Technologies for Biomedicine, Pirogov Medical University, Moscow, Russian Federation. Federal Budget Institution of Science, State Research Center for Applied Microbiology & Biotechnology. Group of Genetic Engeneering and Biotechnology, Federal Budget Institution of Science ‘Central Research Institute of Epidemiology’ of The Federal Service on Customers’ Rights Protection and Human Well- being Surveillance. State Research Center of Virology and Biotechnology VECTOR, Department of Collection of Microorganisms.	54410	2	100,0
Руанда (стабилизация заболеваемости)	GIGA Medical Genomics	205	0	0,0
Румыния (стабилизация заболеваемости)	National Institute of Infectious Diseases–Prof. Dr. Matei Bals Molecular Diagnostics Laboratory	12387	1	100,0
Самоа		169	0	0,0
Саудовская Аравия (стабилизация заболеваемости)	Infectious Diseases, King Faisal Hospital Research Center	1610	0	0,0

Северная Македония (стабилизация заболеваемости)	Institute of Public Health of Republic of North Macedonia Laboratory of Virology and Molecular Diagnostics	434	0	0,0
Северные Марианские острова (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	2095	0	0,0
Сейшелы (стабилизация заболеваемости)	KEMRI– Wellcome Trust Research Programme, Kilifi	619	0	0,0
Сенегал (стабилизация заболеваемости)	IRSESSEF GENOMICS LAB	1816	12	100,0
Сент–Винсент и Гренадины (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	107	0	0,0
Сент–Китс и Невис (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	22	0	0,0
Сент–Люсия (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences	220	0	0,0
Сербия (стабилизация заболеваемости)	Institute of microbiology and Immunology, Faculty of Medicine, University of Belgrade	1686	0	0,0
Сингапур (стабилизация заболеваемости)	National Public Health Laboratory, National Centre for Infectious Diseases	38633	0	0,0
Сен-Мартин (стабилизация заболеваемости)	Institut Pasteur	303	0	0,0
Синт–Мартен (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	927	0	0,0
Сирия (стабилизация заболеваемости)	CASE-2021-0266829	91	0	0,0
Словакия (стабилизация заболеваемости)	Faculty of Natural Sciences, Comenius University	28832	0	0,0

Словения (стабилизация заболеваемости)	Institute of Microbiology and Immunology, Faculty of Medicine, University of Ljubljana	37927	0	0,0
Соломоновы острова (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit - Public Health Laboratory (MDU-PHL)	247	0	0,0
Сомали (стабилизация заболеваемости)	National Public Health Lab- Mogadishu	11	0	0,0
Судан (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service	208	0	0,0
Суринам (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	154	0	0,0
США (стабилизация заболеваемости)	Colorado Department of Public Health & Environment. Maine Health and Environmental Testing Laboratory. California Department of Public Health. UCSD EXCITE.	2721007	1785	100,0
Сьерра-Леоне (стабилизация заболеваемости)	Central Public Health Reference Laboratory	1	0	0,0
Таиланд (пост заболеваемости)	COVID-19 Network Investigations(CONI) Alliance	31621	0	0,0
Тайвань (стабилизация заболеваемости)	Microbial Genomics Core Lab, National Taiwan University Centers of Genomic and Precision Medicine	5042	34	100,0
Танзания (стабилизация заболеваемости)	Jiaxing Center for Disease Control and Prevention	11	0	0,0
Теркс и Кайкос (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies, St Augustine Campus	17	0	0,0
Тимор-Лешти (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit – Public Health Laboratory (MDU-PHL)	4	0	0,0

Того (стабилизация заболеваемости)	Unité Mixte Internationale TransVIHMI(UMI 233 IRD – U1175 INSERM – Université de Montpellier) IRD(Institut de recherche pour le développement)	539	0	0,0
Тонга		96	0	0,0
Тринидад и Тобаго (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	2822	0	0,0
Тунис (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de linique linique – Institut Pasteur de Tunis	917	0	0,0
Турция (стабилизация заболеваемости)	Ministry of Health Turkey	23253	0	0,0
Уганда (стабилизация заболеваемости)	MRC/UVRI & LSHTM Uganda Research Unit	997	0	0,0
Украина (стабилизация заболеваемости)	Department of Respiratory and other Viral Infections of L.V.Gromashevsky Institute of Epidemiology & Infectious Diseases NAMS of Ukraine, JSC “Farmak”	6492	3	100,0
Узбекистан (стабилизация заболеваемости)	Center for Advanced Technologies	90	0	0,0
Уругвай (стабилизация заболеваемости)	Departamento Laboratorios de Salud Pública (DLSP) Ministerio de Salud Pública	357	0	0,0
Федеративные штаты Микронезии (стабилизация заболеваемости)	Pohnpei State Hospital, State Laboratories Division, Hawaii State Department of Health	90	0	0,0
Филиппины (стабилизация заболеваемости)	Philippine Genome Center	16319	0	0,0
Финляндия (стабилизация заболеваемости)	Department of Virology, Faculty of Medicine, University of Helsinki	26514	15	100,0
Франция (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	409272	194	100,0

Французская Гвiana (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	2109	39	100,0
Французская Полинезия (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	13	0	0,0
Хорватия (стабилизация заболеваемости)	Croatian Institute of Public Health	26155	0	0,0
ЦАР (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Sequencing Lab, National Institute for Biomedical Research(INRB)	86	0	0,0
Черногория (стабилизация заболеваемости)	Charité Universitätsmedizin Berlin, Institut für Virologie	633	1	100,0
Чехия (стабилизация заболеваемости)	The National Institute of Public Health	34546	7	100,0
Чили (стабилизация заболеваемости)	Instituto de Salud Publica de Chile	29343	0	0,0
Швейцария (стабилизация заболеваемости)	Department of Biosystems Science and Engineering, ETH Zürich.	58381	0	0,0
Швеция (стабилизация заболеваемости)	The Public Health Agency of Sweden	131818	27	100,0
Шри-Ланка (стабилизация заболеваемости)	Centre for Dengue Research and AICBU, Department of Immunology and Molecular Medicine	1192	0	0,0
Эквадор (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional de Investigaciónes Salud Pública, INSPI	7202	29	100,0
Экваториальная Гвинея (стабилизация заболеваемости)	Swiss Tropical and Public Health Institute	2	0	0,0
Эсватини (стабилизация заболеваемости)	Nhlangano Health Centre(National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service)	766	0	0,0
Эстония (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Communicable Diseases(Estonia); Eurofins Genomics Europe Sequencing GmbH	6252	0	0,0

Эфиопия (стабилизация заболеваемости)	International Centre for Genetic Engineering and Biotechnology(ICGEB) and ARGO Open Lab for Genome Sequencing	272	0	0,0
ЮАР (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform.	28351	0	0,0
Южная Корея (стабилизация заболеваемости)	Division of Emerging Infectious Diseases, Bureau of Infectious Diseases Diagnosis Control, Korea Disease Control and Prevention Agency	165604	1	100,0
Южный Судан (стабилизация заболеваемости)	MRC/UVRI & LSHTM Uganda Research Unit, South Sudan Ministry of Health, WHO South Sudan	28	0	0,0
Ямайка (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	3426	0	0,0
Япония (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Genomics Center, National Institute of Infectious Diseases	477953	224	100,0

Публикации

1. J. Infect Dis. 2024 Jun;143:107028. doi: 10.1016/j.ijid.2024.107028. Epub 2024 Apr 5.

Neutralizing antibody response to XBB.1.5, BA.2.86, FL.1.5.1, and JN.1 six months after the BNT162b2 bivalent booster

Нейтрализующий ответ антител к XBB.1.5, BA.2.86, FL.1.5.1 и JN.1 через шесть месяцев после двухвалентного бустера BNT162b2

Julien Favresse, Constant Gillot, Julien Cabo, Clara David, Jean-Michel Dogné, Jonathan Douxflis

Аннотация

Цели: Было описано усиление уклонения вируса SARS-CoV-2 от стратегий вакцинации и естественного иммунитета, в частности, из-за мутаций в домене, связывающем спайк-рецептор, и N-концевом домене. Методы: Участники исследования CRO-VAX HCP, получавшие бивалентный бустер, находились под наблюдением в течение 6 месяцев. Тест на нейтрализацию псевдовирусов использовали для оценки нейтрализующей способности антител к D614G, Дельта, BA.1, BA.5, XBB.1.5, BA.2.86, FL.1.5.1 и JN-1. Результаты: Нейтрализующая способность антител против варианта Омикрона или его субвариантов была значительно снижена по сравнению с D614G и Дельта ($P < 0,0001$). Самый низкий нейтрализующий ответ, который наблюдался с JN.1 (средние геометрические титры [GMTs] = 22,1), также был значительно ниже, чем у XBB.1.5 (GMT = 29,5, $P < 0,0001$), BA.2.86 (GMT = 29,6, $P < 0,0001$) и FL.1.5.1 (GMT = 25,2, $P < 0,0001$). Участники, которые заразились прорывной инфекцией из-за XBB.1.5, имели значительно более высокие нейтрализующие антитела против всех вариантов, чем неинфицированные участники, особенно против варианта Омикрона и его субвариантов. Выводы: Наши результаты подтверждают, что JN.1 является одним из наиболее избегающих иммунитета вариантов на сегодняшний день и, что субвариант BA.2.86 не показал повышенного выхода иммунитета по сравнению с XBB.1.5. Более сильный ответ в случаях прорывной инфекции с вариантом Омикрона и его субвариантами подтверждает необходимость использования вакцинных антигенов, нацеленных на циркулирующие варианты.

2. doi: <https://doi.org/10.1101/2024.06.05.597664>

Virological characteristics of the SARS-CoV-2 KP.3, LB.1 and KP.2.3 variants

Вирусологические характеристики вариантов SARS -CoV -2 KP.3, LB.1 и KP.2.3

Yu Kaku, Maximilian Stanley Yo, Jarel Elgin Tolentino, Keiya Uriu, Kaho Okumura, The Genotype to Phenotype Japan (G2P-Japan) Consortium, Jumpei Ito, Kei Sato

Аннотация

Вариант SARS-CoV-2 JN.1, происходящий от BA.2.86.1 с заменой в spike (Ах) белке, S:L455S, продемонстрировал повышенную приспособленность и вытеснил ранее преобладавшие линии ХВВ к началу 2024 года. Впоследствии одновременно появились субварианты JN.1, включая КР.2 и КР.3, которые конвергентно приобрели замены S-белка, такие как S: R346T, S:F456L и S:Q493E. Кроме того, с июня 2024 года появились и распространились субварианты JN.1, такие как LB.1 и КР.2.3, которые конвергентно приобрели S: S31del в дополнение к вышеупомянутым заменам. Здесь мы исследовали вирусологические свойства КР.3, LB.1 и КР.2.3. Мы оценили относительное эффективное число размножения (R_e) КР.3, LB.1 и КР.2.3 с использованием байесовской мультиномиальной логистической модели, основанной на данных геномного надзора из Канады, Великобритании и США, где эти варианты распространились с марта по апрель 2024 года. R_e для КР.3 более чем в 1,2 раза выше, чем для JN.1, и выше, чем для КР.2, или сравним с ним в этих странах. Важно, что значения R_e для LB.1 и КР.2.3 даже выше, чем у КР.2 и КР.3. Эти результаты свидетельствуют о том, что три исследованных нами здесь варианта, в частности LB.1 и КР.2.3, станут основными циркулирующими вариантами во всем мире в дополнение к КР.2 и КР.3. Инфекционность псевдовирuses КР.2 и КР.3 была значительно ниже, чем у JN.1. С другой стороны, инфекционность псевдовируса LB.1 и КР.2.3 была сопоставима с инфекционностью JN.1. Анализ нейтрализации проводили с использованием четырех типов сывороток прорывной инфекции (ВТИ) с инфекциями ХВВ.1.5, EG.5, НК.3 и JN.1, а также сывороток моновалентной вакцины ХВВ.1.5. Во всех четырех группах протестированных сывороток ВТИ титры 50% нейтрализации (NT50) против LB.1 и КР.2.3 были значительно ниже, чем титры против JN.1 (в 2,2-3,3 раза и 2,0-2,9 раза) и даже ниже, чем титры против КР.2 (в 1,6-1,9 раза и 1,4-1,7 раза). Хотя КР.3 проявлял устойчивость к нейтрализации против всех протестированных сывороток ВТИ больше, чем JN.1 (в 1,6-2,2 раза) со статистической значимостью, существенных различий между КР.3 и КР.2 не было. В случае сывороток вакцины ХВВ.1.5 без инфекции значения NT50 для субвариантов JN.1 были очень низкими. В случае сывороток вакцины ХВВ.1.5 после естественного заражения ХВВ значения NT50 против КР.3, LB.1 и КР.2.3 были значительно ниже, чем у JN.1 (в 2,1-2,8 раза) и даже ниже, чем у КР.2 после заражения (в 1,4-2,0 раза). В целом, наши результаты свидетельствуют о том, что S-замены, конвергентно приобретенные у субвариантов JN.1, способствуют уклонению от иммунитета и, следовательно, увеличивают их R_e по сравнению с родительским JN.1. Что еще более важно, LB.1 и КР.2.3 проявляли более высокую псевдовирусную инфекционность и более устойчивую иммунную резистентность, чем КР.2. Эти данные свидетельствуют о том, что S: S31del имеет решающее значение для повышения инфекционности, усиливает уклонение от иммунитета и, следовательно, потенциально способствует увеличению R_e .

3. Pathog Glob Health . 2024 Jun 17:1-6. doi: 10.1080/20477724.2024.2369378. Online ahead of print.

JN.1 and the ongoing battle: unpacking the characteristics of a new dominant COVID-19 variant

Статья 1 и продолжающаяся битва: раскрытие характеристик нового доминирующего варианта COVID-19

Reza Eshraghi, Ashkan Bahrami 1, Motahare Karimi Houyeh 1, Maryam Nasr Azadani 1

Аннотация

На четвертый год распространения COVID-19 появился новый вариант COVID-19, JN.1, который распространился по всему миру и стал доминирующим штаммом в нескольких регионах. У него есть некоторые специфические мутации в его спайковых белках, что повышает его трансмиссивность. Что касается важности проблемы, понимание клинических и иммунологических особенностей JN.1 имеет решающее значение для совершенствования стратегий здравоохранения и усилий по вакцинации во всем мире с конечной целью усиления наших коллективных мер реагирования на пандемию. В этом исследовании мы рассмотрим последние данные о характеристиках и мутациях JN.1, а также их последствия для иммунной системы в обход. Мы демонстрируем важность постоянного эпиднадзора и стратегической адаптации в рамках системы здравоохранения, а также важность отбора проб сточных вод для быстрого выявления новых вариантов SARS-CoV-2.

4. QJM. 2024 Jun 12:hcae102. doi: 10.1093/qjmed/hcae102. Online ahead of print.

The emerging challenge of FLiRT variants: KP.1.1 and KP.2 in the global pandemic landscape

Возникающая проблема вариантов флирта: KP.1.1 и KP.2 в условиях глобальной пандемии

Pawan Kumar 1, Jezina Jayan 1, Rakesh Kumar Sharma 2 3, Abhay M Gaidhane 4, Quazi Syed Zahiruddin 5, Sarvesh Rustagi 6, Prakasini Satapathy 7 8

Аннотация

Вирус SARS-CoV-2 претерпел существенную эволюцию, что привело к появлению новых вариантов FLiRT, характеризующихся специфическими спайковыми мутациями - от F до L в позиции 456 и от R до T в позиции 346, - повышающими их трансмиссивность и способность уклоняться от иммунитета. В частности, KP.2 показывает значительное увеличение случаев в США, что указывает на потенциальный сдвиг в пандемическом ландшафте из-за большей способности вируса уклоняться от иммунитета, вызванного вакциной, и более высокого числа эффективных репродукций по сравнению с JN.1. Этот развивающийся сценарий подчеркивает необходимость постоянного мониторинга и стратегий адаптивного реагирования для решения проблем, связанных с этими новыми вариантами. В этом реферате рассматривается появление вариантов флирта KP.2 и KP1.1, потомков варианта Omicron JN.1, поскольку они привлекают внимание всего мира в условиях продолжающейся пандемии COVID-19.

5. Elife. 2024 Jun 12:13:RP95708. doi: 10.7554/eLife.95708.

Role of N343 glycosylation on the SARS-CoV-2 S RBD structure and co-receptor binding across variants of concern

Роль гликозилирования N343 в структуре SARS -CoV -2 S RBD и связывание с корецепторами в рассматриваемых вариантах

Callum M Ives, Linh Nguyen, Carl A Fogarty, Aoife M Harbison, Yves Durocher, John Klassen, Elisa Fadda

Аннотация

Гликозилирование белка-шипа SARS-CoV-2 представляет собой ключевую мишень для вирусной эволюции, поскольку оно влияет как на уклонение от вируса, так и на приспособленность. Однако трудно добиться успешных изменений гликанового щита, поскольку гликозилирование белка также имеет решающее значение для фолдинга и структурной стабильности. В рамках этой концепции идентификация сайтов гликозилирования, которые структурно необязательны, может дать представление об эволюционных механизмах защиты и информировать иммунный надзор. В этой работе мы показываем с помощью кумулятивного отбора проб в течение 45 мкс с помощью традиционного и усовершенствованного молекулярно-динамического моделирования (MD), как структура иммунодоминантного домена, связывающего S-рецептор (RBD), регулируется N-гликозилированием в N343 и как структурная роль этого гликана меняется от WHu-1, альфа (B.1.1.7) и бета (B.1.351), до варианты delta (B.1.617.2) и omicron (BA.1 и BA.2.86). Более конкретно, мы обнаруживаем, что амфипатическая природа N-гликана играет важную роль в сохранении структурной целостности гидрофобного ядра RBD и что потеря гликозилирования в N343 вызывает специфическое и последовательное конформационное изменение. Мы показываем, как это изменение аллостерически регулирует конформацию мотива связывания с рецептором (RBM) в вариантах WHu-1, альфа и бета RBD, но не в вариантах дельта и омикрон, из-за мутаций, которые усиливают архитектуру RBD. В подтверждение этих выводов мы показываем, что связывание RBD с моносиалилированными ганглиозидными корецепторами в значительной степени зависит от гликозилирования N343 в WHu-1, но не в дельта-RBD, и что аффинность значительно изменяется в зависимости от VOI. В конечном счете, молекулярное и функциональное понимание, которое мы предоставляем в этой работе, укрепляет наше понимание роли гликозилирования в структуре и функции белка, а также позволяет нам определить структурные ограничения, в рамках которых сайт гликозилирования в N343 может стать очагом мутаций в SARS-CoV-2 S гликанового щита.