

**Дмитриева Л. Н., Чумачкова Е.А., Краснов Я.М., Осина Н. А.,
Зиминова А.А., Иванова А.В., Карнаухов И. Г., Караваева Т.Б.,
Щербакова С. А., Кутырев В. В**

Распространение вариантов вируса SARS-COV-2, вызывающих интерес (VOI) и находящихся под наблюдением (VUM), на основе количества их геномов, депонированных в базу данных GISAID за неделю с 25 по 31 мая 2024 г.

*ФКУН Российский научно-исследовательский противочумный институт
«Микроб» Роспотребнадзора, Саратов, Российская Федерация*

В обзоре представлена информация по циркулирующим в настоящее время вариантам вируса SARS-COV-2 Omicron вызывающих интерес (VOI) и находящихся под наблюдением (VUM), геномные последовательности которых размещены в международной базе данных GISAID за неделю с 25 по 31 мая 2024 г.

По состоянию на 31 мая 2024 г. в соответствии с классификацией ВОЗ к вариантам вируса SARS-COV-2, вызывающих интерес (VOI), отнесены пять субвариантов: XBB.1.5, XBB.1.16, EG.5, BA.2.86 и JN.1. В группу вариантов VUM включены четыре субварианта, а именно JN.1.7, KP.2, KP.3, JN.1.18.

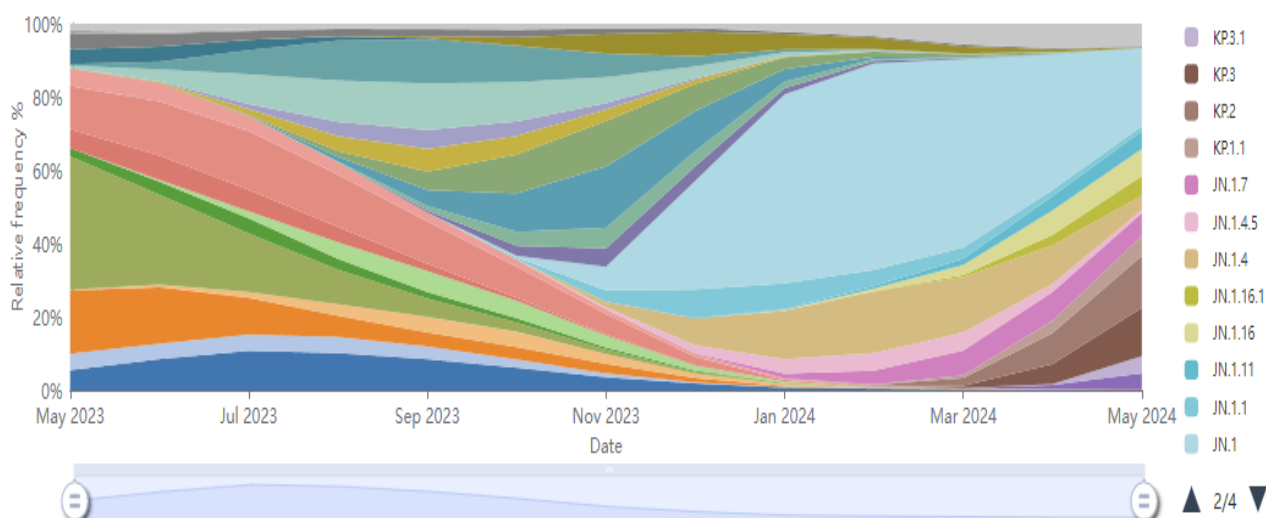
На сегодняшний день в базе данных GISAID всего представлено 16 765 210 геномов вируса SARS-COV-2 (за неделю депонировано 9 132 геномные последовательности). В мире странами – лидерами по количеству депонированных вируса SARS-CoV-2 остаются США – (5 128 161 геном – 30,6% от всех размещенных в GISAID) и Великобритания (3 156 407 геномов – 18,8%).

Всего в базу данных GISAID депонировано 9 234 496 геномов варианта Omicron, за анализируемую неделю размещено еще 8 971 геномная последовательность – 98,2% от всех представленных за текущую неделю геновариантов вируса SARS-CoV-2 (на прошлой неделе – 96,4%). Российскими лабораториями размещено 86 769 геномов SARS-COV-2, в том числе варианта Omicron – 54 348 геномных последовательностей.

На сегодняшний день в базе данных GISAID зафиксировано депонирование варианта Omicron из 215 стран и территорий (на предыдущей неделе – 215): Австралия, Австрия, Азербайджан, Албания, Алжир, Американское Самоа, Андорра, Ангола, Антигуа и Барбуда, Ангилья, Аргентина, Армения, Аруба, Афганистан, Бангладеш, Барбадос, Бахрейн, Беларусь, Бельгия, Бермудские Острова, Белиз, Бенин, Болгария, Боливия, Ботсвана, Босния и Герцеговина, Бонайре, Бразилия, Бруней, Британские Виргинские острова, Бутан, Бурунди, Буркина-Фасо, Великобритания, Венесуэла, Венгрия, Виргинские Острова (США), Вьетнам, Гана, Гаити, Гамбия, Гайана, Гваделупа, Гватемала, Гвинея, Германия, Гибралтар, Гондурас, Гонконг, Гренада, Греция, Грузия, Гуам, Габон, Дания, Джибути, Доминиканская Республика, Доминика, ДРК Демократическая Республика Восточный Тимор, Демократическая Республика Сан-Томе и Принсипи, Египет, Замбия, Зимбабве, Израиль, Индия, Индонезия, Иордания, Ирак, Иран, Ирландия, Исландия, Испания, Италия, Кабо-Верде, Казахстан, Каймановы Острова, Камбоджа, Камерун, Канада, Катар, Кения, Кипр, Китай,

Кирибати, Колумбия, Косово, Коста-Рика, Кот-д'Ивуар, Куба, Кувейт, Кыргызстан, Кюрасао, Лаос, Латвия, Либерия, Ливан, Ливия, Лихтенштейн, Литва, Лесото (Королевство Лесото), Люксембург, Мадагаскар, Маврикий, Мавритания, Макао, Малави, Малайзия, Мальдивы, Мальта, Мали, Марокко, Мартиника, Маршалловы Острова, Майотта, Мексика, Мозамбик, Молдова, Монако, Монголия, Монтсеррат, Мьянма, Микронезия, Намибия, Нидерланды, Нигер, Нигерия, Непал, Независимое государство Самоа, Ниуэ, Норвегия, Новая Зеландия, Новая Каледония, Никаргуа, Оман, ОАЭ, Острова Кука, Пакистан, Палестина, Панама, Палау, Парагвай, Папуа Новая Гвинея, Перу, Португалия, Польша, Пуэрто-Рико, Реюньон, Республика Конго, Республика Сейшельские Острова, Республика Гвинея-Бисау, Респблика Вануту, Румыния, Россия, Руанда, Сальвадор, Сен-Мартен, Синт-Мартен, Саудовская Аравия, Северная Македония, Северные Марианские острова, Сенегал, Союз Коморских Островов, Сьерра-Леоне, Словакия, Словения, Сингапур, Сирия, США, Сент-Китс и Невис, Сент-Винсент и Гренадины, Сент-Люсия, Синт-Мартен, Содружество Багамских Островов, Сомали, Судан, Таиланд, Тайвань, Танзания, Теркс и Кайкос, Того, Тонга, Тринидад и Тобаго, Тунис, Турция, Уганда, Узбекистан, Украина, Уругвай, Финляндия, Франция, Французская Гвиана, Французская Полинезия, Филиппины, Хорватия, Черногория, Чехия, Чили, Чад, ЦАР, Швеция, Швейцария, Шри-Ланка, Эквадор, Эстония, Эсватини, Эфиопия, Экваториальная Гвинея, ЮАР, Южная Корея, Южный Судан, Япония, Ямайка.

За последние 4 недели 26 стран (12,1%) (за предыдущие – 25 стран (11,6%)) дополнили данные о депонировании геномных последовательностей Omicron в GISAID. Динамика распространения в мире субвариантов Omicron секвенированных и загруженных в базу данных GISAID представлена на рисунке 1. Как и на прошедшей неделе среди циркулирующих в настоящее время штаммов SARS-CoV-2 в мире доминируют пять сублиний варианта BA.2.86: JN.1 (21,33% от всех размещенных в GISAID), KP.2 (14,2%), KP.3 (13,25%), JN.1.6 (7,34%) и JN.1.7 (6,25%).



JN.1 – KP.3 – KP.2 – JN.1.6. – JN.1.7 –

Рисунок 1. Распространение субвариантов Omicron в мире (по состоянию на 31 мая 2024 г.)

В Европейском регионе преобладают субварианты – JN.1, KP.2, KP.3, JN.1.7 и JN.1.16.1 (рис 2), в Западно-Тихоокеанском регионе – JN.1, KP.3, JN.1.6, KP.2 и JN.1.11 (рис. 3), в регионе Северной и Южной Америки – JN.1, KP.2, JN.1.6, KP.3 и LB.1 (рис. 4), регионе Юго-Восточной Азии –KP.2 и KP.4.1 (рис. 5).

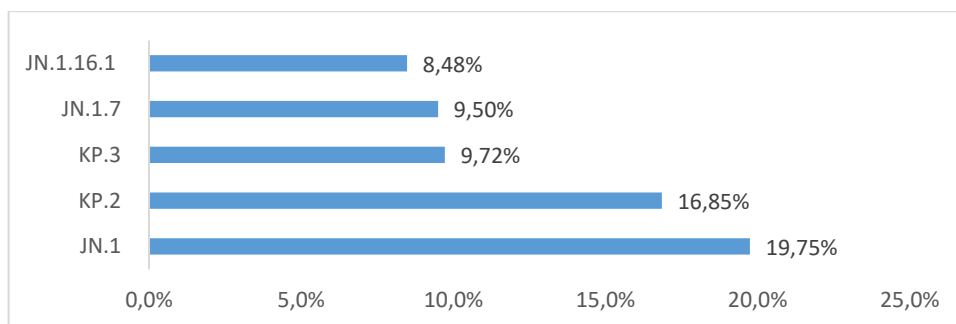


Рисунок 2. Распространение субвариантов Omicron в Европейском регионе (по состоянию на 31 мая 2024 г.)

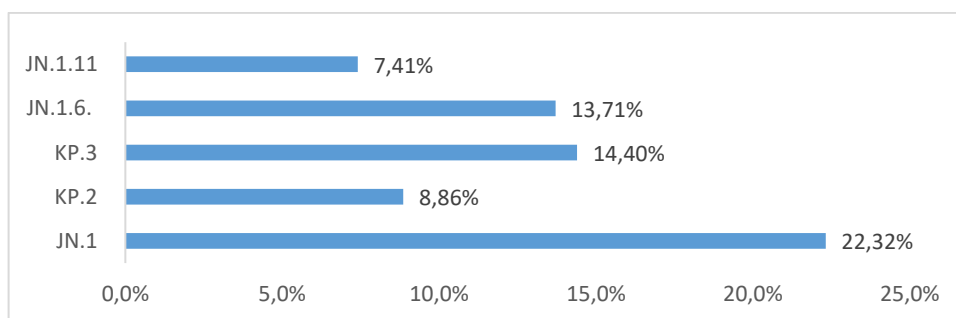


Рисунок 3. Распространение субвариантов Omicron в Западно-Тихоокеанском регионе (по состоянию на 31 мая 2024 г.)

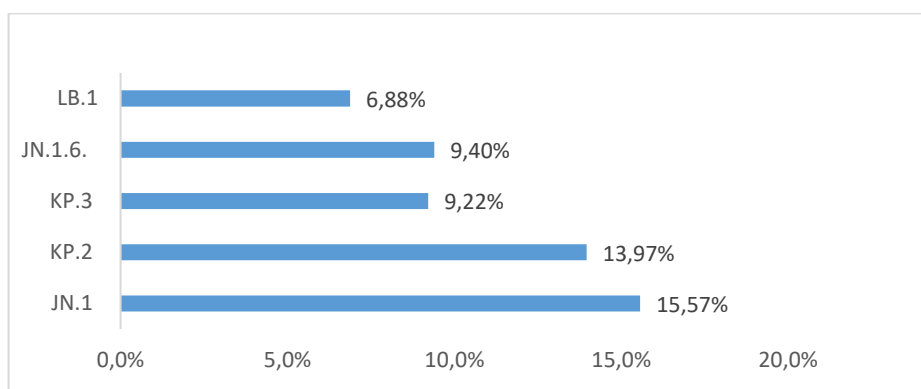


Рисунок 4. Распространение субвариантов Omicron в регионе Северной и Южной Америки (по состоянию на 31 мая 2024 г.)

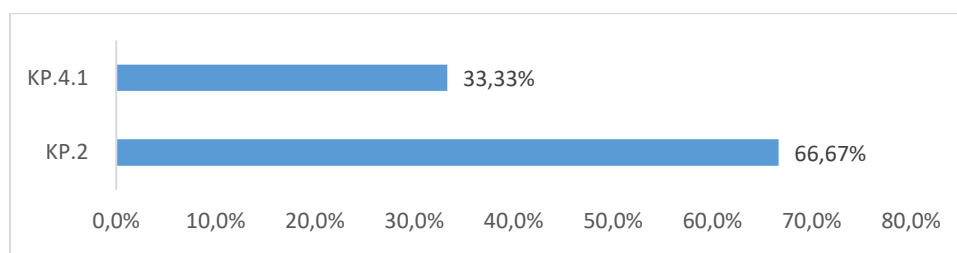


Рисунок 5. Распространение субвариантов Omicron в регионе Юго-Восточной Азии (по состоянию на 31 мая 2024 г.)

Варианты, вызывающие интерес (VOI)

По состоянию на 31 мая 2024 г. распространение субвариантов ХВВ.1.5 и ХВВ.1.16 в мире за прошедшую неделю осталось стабильным на уровне 0,1%. Распространение субварианта EG.5 снизилось с 0,3% до 0,23%, ВА.2.86 – с 0,6% до 0,57%.

В базу данных GISAID EpiCoV последовательности, относящиеся к ХВВ.1.5 (Kraken) депонированы из 149 стран (за последние 4 недели размещены 2 генома из Испании и Швеции), субварианта ХВВ.1.16 (Arcturus) - лабораториями 132 стран (за последние 4 недели – 1 геном из Великобритании). Геномные последовательности субварианта EG.5 (Eris) секвенированы лабораториями 111 стран (за последние 4 недели – 1 геном из Канады). Субвариант ВА.2.86 (Pirola) по состоянию на 31 мая 2024 г. циркулирует в 98 странах, за последние 4 недели в базу данных GISAID депонировано 10 геномных последовательностей из 4 стран (Великобритания, США, Япония, Испания).

Геномные последовательности субварианта JN.1 представлены из 132 стран, распространенность составила 93,3% (+37% за прошедшую неделю). Удельный вес субварианта среди секвенированных и размещенных в базе данных GISAID за последние 4 недели составил в Ирландии – 98%, Австралии – 97,9%, США – 96,6%, Канаде – 96,4%, Южной Корее – 95,7%, Великобритании – 93,6%, на Тайване – 93%, в Новой Зеландии – 92,7%, Испании – 91,5%, Китае – 86,1%.

Варианты, находящиеся под наблюдением (VUM)

С момента идентификации в базе данных GISAID депонировано более 6-ти тысяч геномных последовательностей субварианта JN.1.7 из 52 стран. Субвариант JN.1.18 секвенирован в 66 странах (более 2,3 тыс. последовательностей).

Субвариант KP.2 циркулирует в 34 странах. В США за последние 2 недели является доминирующим вариантом, число случаев заболеваний, вызванных KP.2, увеличилось с 20,5% до 28,5%.

Субвариант KP.3 обнаружен как минимум в 26 странах, преимущественно – Австралии Японии, Испании, Канаде и Великобритании.

В последние недели рост заболеваемости COVID-19 наблюдается в Сингапуре, где около двух третей случаев заболеваний обусловлены штаммами КР.1 и КР.2.

Информация по обновленным данным о депонированных геномах вируса SARSCOV- 2 варианта **Omicron** (B.1.1.529+BA.*) в базе GISAID дана в таблице 1.

Таблица 1 – Количество депонированных геномов вариантов вируса SARS-CoV-2 Omicron (B.1.1.529+BA.*) в базе GISAID

Страна	Учреждение, проводившее секвенирование	Количество депонированных геномов Omicron (B.1.1.529)	В том числе количество геномов Omicron, депонированных за последние 4 недели (04.05. – 31.05.2024 г.)	Процент геномов, относящихся к варианту Omicron (B.1.1.529), депонированных за последние 4 недели
Австралия (рост заболеваемости)	NSW Health Pathology – Institute of Clinical Pathology and Medical Research; Westmead Hospital; University of Sydney	178586	461	100,0
Австрия (стабилизация заболеваемости)	Bergthaler laboratory, CeMM Research Center for Molecular Medicine of the Austrian Academy of Sciences	194360	0	0,0
Азербайджан (стабилизация заболеваемости)	National Hematology and Transfusiology Center	39	0	0,0
Албания (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Virus Unit, National Infection Service, Public Health England	1018	0	0,0
Алжир (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	722	0	0,0
Американские острова (стабилизация заболеваемости)	UW Virology Lab	1451	0	0,0
Американское Самоа (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	157	0	0,0
Ангилья (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	54	0	0,0
Ангола (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform	169	0	0,0

Андорра (стабилизация заболеваемости)	Instituto de Salud Carlos III	323	0	0,0
Антигуа и Барбуда (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies, St Augustine Campus	131	0	0,0
Аргентина (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional Enfermedades Infecciosas C.G.Malbran	10465	0	0,0
Армения (стабилизация заболеваемости)	Institute of Molecular Biology NAS RA, Republic of Armenia, Department of Bioengineering, Bioinformatics Institute and Molecular Biology IBMPh RAU, Republic of Armenia	17	0	0,0
Аруба (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	1060	0	0,0
Афганистан (стабилизация заболеваемости)	Central Public Health Lab	22	0	0,0
Багамские острова (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Respiratory Viruses and Measles, Oswaldo Cruz Institute, FIOCRUZ	109	0	0,0
Бангладеш (стабилизация заболеваемости)	Child Health Research Foundation	2326	0	0,0
Барбадос (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Building 36, First Floor Biochemistry Unit, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	272	15	100,0
Бахрейн (стабилизация заболеваемости)	Communicable Disease Laboratory, Public Health Directorate	7501	0	0,0
Беларусь (стабилизация заболеваемости)	Laboratory for HIV and opportunistic infections diagnosis The Republican Research and Practical Center for Epidemiology and Microbiology(RRPCEM)	120	0	0,0
Белиз (стабилизация заболеваемости)	Texas Children's Microbiome Center	703	0	0,0
Бельгия (стабилизация заболеваемости)	KU Leuven, Rega Institute, Clinical and Epidemiological Virology	99932	0	0,0

Бенин (стабилизация заболеваемости)	Institut für Virologie – Institute of Virology – Charite	518	0	0,0
Бермудские острова (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Virus Unit, National Infection Service, Public Health England	210	0	0,0
Болгария (стабилизация заболеваемости)	National Center of Infectious and Parasitic Diseases	7924	0	0,0
Боливия (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Respiratory Viruses and Measles, Oswaldo Cruz Institute, FIOCRUZ	323	0	0,0
Бонэйр (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	1081	0	0,0
Босния и Герцеговина (стабилизация заболеваемости)	University of Sarajevo, Veterinary Faculty, Laboratory for Molecular Diagnostic and Research Laboratory	263	0	0,0
Ботсвана (стабилизация заболеваемости)	Botswana Institute for Technology Research and Innovation	3455	0	0,0
Бразилия (стабилизация заболеваемости)	Instituto Adolfo Lutz, Interdisciplinary Procedures Center, Strategic Laboratory	127334	0	0,0
Британские Виргинские Острова (стабилизация заболеваемости)	Caribbean Public Health Agency	46	0	0,0
Бруней (стабилизация заболеваемости)	National Public Health Laboratory, National Centre for Infectious Diseases(National Virology Reference Laboratory)	6411	0	0,0
Бутан (стабилизация заболеваемости)	AFRIMS	100	0	0,0
Буркина-Фасо (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire bacteriologie virologie CHUSS	87	0	0,0
Бурунди (стабилизация заболеваемости)	MRC/UVRI & LSHTM Uganda Research Unit, National Institute of Public Health	93	0	0,0
Великобритания (стабилизация заболеваемости)	COVID–19 Genomics UK (COG–UK) Consortium. Wellcome Sanger Institute for the COVID–19 Genomics UK (COG–UK) consortium.	1527502	1009	100,0

Венгрия (стабилизация заболеваемости)	National Laboratory of Virology, Szentágothai Research Centre	674	0	0,0
Венесуэла (стабилизация заболеваемости)	Laboratorio de Virología Molecular	829	0	0,0
Вьетнам (стабилизация заболеваемости)	National Influenza Center, National Institute of Hygiene and Epidemiology(NIHE)	6679	0	0,0
Габон (стабилизация заболеваемости)	Centre de recherches médicales de Lambaréné(CERMEL)	2	0	0,0
Гаити (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire National de Santé Publique – LNSP(HAITI – LNSP)	490	0	0,0
Гайана (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	102	0	0,0
Гамбия (стабилизация заболеваемости)	MRCG at LSHTM Genomics lab	333	0	0,0
Гана (стабилизация заболеваемости)	Department of Biochemistry, Cell and Molecular Biology, West African Centre for Cell Biology of Infectious Pathogens(WACCBIP), University of Ghana	2440	0	0,0
Гваделупа (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	699	0	0,0
Гватемала (стабилизация заболеваемости)	Asociación de Salud Integral/Clinica Familiar Luis Ángel García	4540	1	100,0
Гвинея (стабилизация заболеваемости)	Centre de Recherche et de Formation en Infectiologie Guinée	536	0	0,0
Гвинея-Бисау (стабилизация заболеваемости)	MRCG at LSHTM, Genomics lab	20	0	0,0
Германия (рост заболеваемости)	Charité Universitätsmedizin Berlin, Institut für Virologie. Institute of infectious medicine & hospital hygiene, CaSe-Group.	584283	36	100,0
Гибралтар (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Virus Unit, National Infection Service, Public Health England	122	0	0,0
Гондурас (стабилизация заболеваемости)	Genomics and Proteomics Departament, Gorgas Memorial Institute For Health Studies	271	0	0,0

Гонконг (стабилизация заболеваемости)	Hong Kong Department of Health	16114	18	100,0
Гренада	WINDREF/SGU Laboratory	112	0	0,0
Греция (стабилизация заболеваемости)	Greek Genome Center, Biomedical Research Foundation of the Academy of Athens(BRFAA)	26020	0	0,0
Грузия (стабилизация заболеваемости)	Department for Virology, Molecular Biology and Genome Research, R. G. Lugar Center for Public Health Research, National Center for Disease Control and Public Health(NCDC) of Georgia.	2630	0	0,0
Гуам (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	508	0	0,0
Дания (стабилизация заболеваемости)	Albertsen lab, Department of Chemistry and Bioscience, Aalborg University. Department of Virus and Microbiological Special Diagnostics, Statens Serum Institut.	389608	23	100,0
Доминика (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies, St Augustine Campus	10	0	0,0
Доминиканская Республика (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Viruses Branch, Centers for Disease Control and Prevention, USA	2138	0	0,0
Демократическая Республика Конго (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Sequencing Lab, National Institute for Biomedical Research(INRB)	597	0	0,0
ДР Сент Томе и Принсипи (стабилизация заболеваемости)	LNR-TB	1	0	0,0
Египет (стабилизация заболеваемости)	Main Chemical Laboratories Egypt Army	2793	0	0,0
Замбия (стабилизация заболеваемости)	University of Zambia, School of Veterinary Medicine	1269	0	0,0
Зимбабве (стабилизация заболеваемости)	National Microbiology Reference Laboratory(Quadram Institute Bioscience)	316	0	100,0

Израиль (стабилизация заболеваемости)	Central Virology Laboratory, Israel Ministry of Health	121049	50	0,0
Индия (стабилизация заболеваемости)	Department of Neurovirology, National Institute of Mental Health and Neurosciences(NIMHANS).CSIR–Centre for Cellular and Molecular Biology	147489	0	0,0
Индонезия (стабилизация заболеваемости)	National Institute of Health Research and Development	41151	0	0,0
Иордания (стабилизация заболеваемости)	Andersen lab at Scripps Research, CA, USA	293	0	0,0
Ирак (стабилизация заболеваемости)	Biology, College of Education Department of Virology, Faculty of Medicine, University of Helsinki, Helsinki, Finland generated and submitted to GISAID	431	0	0,0
Иран (стабилизация заболеваемости)	National Reference Laboratory for COVID–19, Pasteur Institute of Iran	2875	0	0,0
Ирландия (стабилизация заболеваемости)	National Virus Reference Laboratory	62631	164	100,0
Исландия (стабилизация заболеваемости)	Landspítali Department of Clinical Microbiology	11692	25	100,0
Испания (стабилизация заболеваемости)	Hospital Universitario 12 de Octubre	150254	394	99,7
Италия (стабилизация заболеваемости)	Army Medical Center, Scientific Department, Virology Laboratory	99486	2	100,0
Кабо–Верде (стабилизация заболеваемости)	Institut Pasteur de Dakar	772	0	0,0
Казахстан (стабилизация заболеваемости)	Reference laboratory for the control of viral infections	2839	0	0,0
Камбоджа (стабилизация заболеваемости)	Virology Unit, Institut Pasteur du Cambodge	2020	5	100,0
Камерун (стабилизация заболеваемости)	CREMER(Centre de Recherches sur les Maladies Emergentes et Ré–émergentes)	1348	0	0,0
Канада (рост заболеваемости)	Laboratoire de santé publique du Québec	369188	1515	100,0
Каймановы острова	Cayman Islands Molecular Biology Laboratory	286	0	0,0

Катар (стабилизация заболеваемости)	Biomedical Research Center(BRC), Qatar University / Qatar Genome Project(QGP)	1718	0	0,0
Кения (стабилизация заболеваемости)	KEMRI–Wellcome Trust Research Programme/KEMRI–CGMR–C Kilifi	6304	0	0,0
Кипр (стабилизация заболеваемости)	Department of Molecular Virology, Cyprus Institute of Neurology and Genetics	4425	0	0,0
Китай (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Viral Disease Control and Prevention	76968	239	100,0
Колумбия (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional de Salud– Dirección de Investigación en Salud Pública	16106	0	0,0
Коморские острова (стабилизация заболеваемости)	KEMRI–Wellcome Trust Research Programme/KEMRI–CGMR–C Kilifi	11	0	0,0
Косово (стабилизация заболеваемости)	Charité Universitätsmedizin Berlin, Institut für Virologie	946	0	0,0
Коста-Рика (стабилизация заболеваемости)	Incienza, Instituto Costarricense de Investigación y Enseñanza en Nutrición y Salud	10210	0	0,0
Кот Д'Ивуар (стабилизация заболеваемости)	Molecular diagnostic unit for viral haemorrhagic fevers and emerging viruses, Bouaké CHU Laboratory	310	0	0,0
Куба (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Infections Laboratory	645	0	0,0
Кувейт (стабилизация заболеваемости)	Virology Unit, Department of Microbiology, Faculty of Medicine, Kuwait	996	0	0,0
Кыргызстан (стабилизация заболеваемости)	SRC VB “Vector”, “Collection of microorganisms” Department	45	0	0,0
Кюрасао (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	1308	0	0,0
Лаос (стабилизация заболеваемости)	LOMWRU/Microbiology Laboratory, Mahosot Hospital	1058	0	0,0
Латвия (стабилизация заболеваемости)	Latvian Biomedical Research and Study Centre	14445	0	0,0
Лесото (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service	155	0	0,0

Либерия (стабилизация заболеваемости)	Center for Infection and Immunity, Columbia University	68	0	0,0
Ливан (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Molecular Biology and Cancer Immunology, Lebanese University Public Health England	1015	0	0,0
Ливия (стабилизация заболеваемости)	Reference Lab for Public Health, NCDC	31	0	0,0
Литва (стабилизация заболеваемости)	Vilnius University Hospital Santaros Klinikos, Center of Laboratory Medicine	13447	0	0,0
Лихтенштейн (стабилизация заболеваемости)	Bergthaler laboratory, CeMM Research Center for Molecular Medicine of the Austrian Academy of Sciences	1383	0	0,0
Люксембург (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire national de santé, Microbiology, Microbial Genomics Platform	38121	0	0,0
Макао (стабилизация заболеваемости)	Centro de Sequenciamento Genômico	1	0	0,0
Маврикий (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	8027	0	0,0
Мавритания (стабилизация заболеваемости)	INRSP-Mauritania	7	0	0,0
Майотта (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	375	0	0,0
Малайзия (стабилизация заболеваемости)	Institute for Medical Research, Infectious Disease Research Centre, National Institutes of Health, Ministry of Health Malaysia	35785	7	100,0
Малави (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform	283	0	0,0
Мали (стабилизация заболеваемости)	Northwestern University – Center for Pathogen Genomics and Microbial Evolution	160	0	0,0
Мальдивы (стабилизация заболеваемости)	Indira Gandhi Memorial Hospital	333	0	0,0
Мальта (стабилизация заболеваемости)	Molecular Diagnostics Pathology Department Mater Dei Hospital Malta	163	0	0,0

Маршалловы острова (стабилизация заболеваемости)	State Laboratories Division, Hawaii State Department of Health	42	0	0,0
Марокко (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de Biotechnologie	1364	0	0,0
Мартиника (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	1543	0	0,0
Мексика (стабилизация заболеваемости)	Instituto de Diagnóstico y Referencia Epidemiológicos (INDRE)	48056	0	0,0
Мозамбик (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform, South Africa	801	0	0,0
Молдавия (стабилизация заболеваемости)	ONCOGENE LLC	698	0	0,0
Монако (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	19	0	0,0
Монголия (стабилизация заболеваемости)	National Centre for Communicable Disease (NCCD) National Influenza Center	1069	0	0,0
Монтсеррат (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	12	0	0,0
Мьянма (стабилизация заболеваемости)	DSMRC	191	0	0,0
Намибия (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service	877	0	0,0
Непал (стабилизация заболеваемости)	Molecular and Genomics Research Lab, Dhulikhel Hospital, Kathmandu University Hospital School of Public Health, The University of Hong Kong	1301	0	0,0
Нигер (стабилизация заболеваемости)	National Reference Laboratory, Nigeria Centre for Disease Control	128	0	0,0
Нигерия (стабилизация заболеваемости)	African Centre of Excellence for Genomics of Infectious Diseases(ACEGID), Redeemer's University	3474	0	0,0
Нидерланды (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	85459	0	0,0

Ниуэ	Institute of Environmental Science and Research (ESR)	39	0	0,0
Новая Зеландия (рост заболеваемости)	Institute of Environmental Science and Research(ESR)	40728	116	100,0
Новая Каледония (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de Microbiologie Centre Hospitalier Territorial de Nouvelle-Calédonie	96	0	0,0
Норвегия (стабилизация заболеваемости)	Norwegian Institute of Public Health, Department of Virology	36334	0	0,0
ОАЭ (стабилизация заболеваемости)	Wellcome Sanger Institute for the COVID-19 Genomics UK(COG-UK) Consortium	734	0	0,0
Оман (стабилизация заболеваемости)	Oman-National Influenza Center	790	0	0,0
Острова Кука	Institute of Environmental Science and Research (ESR)	189	0	0,0
Пакистан (стабилизация заболеваемости)	Department of Virology, Public Health Laboratories Division	3615	0	0,0
Палау (стабилизация заболеваемости)	Can Ruti SARS-CoV-2 Sequencing Hub (HUGTiP/IrsiCaixa/IGTP)	74	0	0,0
Палестина (стабилизация заболеваемости)	Biochemistry and Molecular Biology Department-Faculty of Medicine, Al-Quds University	117	0	0,0
Панама (стабилизация заболеваемости)	Gorgas memorial Institute For Health Studies	3342	0	0,0
Папуа Новая Гвинея (стабилизация заболеваемости)	Queensland Health Forensic and Scientific Services	924	0	0,0
Парагвай (стабилизация заболеваемости)	Laboratorio Central de Salud Publica de Paraguay	2438	0	0,0
Перу (стабилизация заболеваемости)	Laboratorio de Referencia Nacional de Biotecnología y Biología Molecular. Instituto Nacional de SaludPerú	39471	0	0,0
Польша (стабилизация заболеваемости)	genXone SA, Research & Development Laboratory	47268	0	0,0
Португалия (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional de Saude(INSA)	24444	0	0,0

Пуэрто Рико (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	20699	0	0,0
Республика Вануату (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit - Public Health Laboratory (MDU-PHL)	100	0	0,0
Республика Джибути (стабилизация заболеваемости)	Naval Medical Research Center Biological Defense Research Directorate	633	0	0,0
Республика Кирибати (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit - Public Health Laboratory (MDU-PHL)	136	0	0,0
Республика Конго (стабилизация заболеваемости)	Institute of Tropical Medicine	216	0	0,0
Республика Мадагаскар (стабилизация заболеваемости)	Virology Unit, Institut Pasteur de Madagascar	57	0	0,0
Республика Никарагуа (стабилизация заболеваемости)	MSHS Pathogen Surveillance Program, CNDR, Departamento de Virología	335	0	0,0
Республика Сальвадор (стабилизация заболеваемости)	Genomics and Proteomics Department, Gorgas Memorial Institute For Health Studies	618	0	0,0
Республика Чад (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Genomics Lab, National Institute for Biomedical Research (INRB),	28	0	0,0
Реюньон (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	12132	0	0,0
Россия (рост заболеваемости)	WHO National Influenza Centre Russian Federation. Center for Precision Genome Editing and Genetic Technologies for Biomedicine, Pirogov Medical University, Moscow, Russian Federation. Federal Budget Institution of Science, State Research Center for	54256	48	100,0

	Applied Microbiology & Biotechnology. Group of Genetic Engineering and Biotechnology, Federal Budget Institution of Science 'Central Research Institute of Epidemiology' of The Federal Service on Customers' Rights Protection and Human Well-being Surveillance. State Research Center of Virology and Biotechnology VECTOR, Department of Collection of Microorganisms.			
Руанда (стабилизация заболеваемости)	GIGA Medical Genomics	205	0	0,0
Румыния (стабилизация заболеваемости)	National Institute of Infectious Diseases–Prof. Dr. Matei Bals Molecular Diagnostics Laboratory	12366	0	0,0
Самоа		169	0	0,0
Саудовская Аравия (стабилизация заболеваемости)	Infectious Diseases, King Faisal Hospital Research Center	1607	0	0,0
Северная Македония (стабилизация заболеваемости)	Institute of Public Health of Republic of North Macedonia Laboratory of Virology and Molecular Diagnostics	434	0	0,0
Северные Марианские острова (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	2095	0	0,0
Сейшелы (стабилизация заболеваемости)	KEMRI– Wellcome Trust Research Programme, Kilifi	619	0	0,0
Сенегал (стабилизация заболеваемости)	IRESSEF GENOMICS LAB	1781	0	0,0
Сент–Винсент и Гренадины (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	107	0	0,0
Сент–Китс и Невис (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	22	0	0,0

Сент–Люсия (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences	220	0	0,0
Сербия (стабилизация заболеваемости)	Institute of microbiology and Immunology, Faculty of Medicine, University of Belgrade	1686	0	0,0
Сингапур (стабилизация заболеваемости)	National Public Health Laboratory, National Centre for Infectious Diseases	36655	0	0,0
Сен-Мартин (стабилизация заболеваемости)	Institut Pasteur	303	0	0,0
Синт–Мартен (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	922	0	0,0
Сирия (стабилизация заболеваемости)	CASE-2021-0266829	91	0	0,0
Словакия (стабилизация заболеваемости)	Faculty of Natural Sciences, Comenius University	28832	0	0,0
Словения (стабилизация заболеваемости)	Institute of Microbiology and Immunology, Faculty of Medicine, University of Ljubljana	37927	0	0,0
Соломоновы острова (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit - Public Health Laboratory (MDU-PHL)	247	0	0,0
Сомали (стабилизация заболеваемости)	National Public Health Lab- Mogadishu	11	0	0,0
Судан (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service	208	0	0,0
Суринам (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	154	0	0,0
США (стабилизация заболеваемости)	Colorado Department of Public Health & Environment. Maine Health and Environmental Testing Laboratory. California Department of Public Health. UCSD EXCITE.	2712596	1108	100,0
Сьерра–Леоне (стабилизация заболеваемости)	Central Public Health Reference Laboratory	1	0	0,0
Таиланд (стабилизация заболеваемости)	COVID–19 Network Investigations(CONI) Alliance	31392	0	0,0

Тайвань (стабилизация заболеваемости)	Microbial Genomics Core Lab, National Taiwan University Centers of Genomic and Precision Medicine	4921	75	100,0
Танзания (стабилизация заболеваемости)	Jiaxing Center for Disease Control and Prevention	11	0	0,0
Теркс и Кайкос (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies, St Augustine Campus	17	0	0,0
Тимор-Лешти (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit – Public Health Laboratory (MDU–PHL)	4	0	0,0
Того (стабилизация заболеваемости)	Unité Mixte Internationale TransVIHMI(UMI 233 IRD – U1175 INSERM – Université de Montpellier) IRD(Institut de recherche pour le développement)	539	0	0,0
Тонга		96	0	0,0
Тринидад и Тобаго (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	2822	0	0,0
Тунис (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de linique linique – Institut Pasteur de Tunis	917	3	100,0
Турция (стабилизация заболеваемости)	Ministry of Health Turkey	23249	0	0,0
Уганда (стабилизация заболеваемости)	MRC/UVRI & LSHTM Uganda Research Unit	989	0	0,0
Украина (стабилизация заболеваемости)	Department of Respiratory and other Viral Infections of L.V.Gromashevsky Institute of Epidemiology & Infectious Diseases NAMS of Ukraine, JSC “Farmak”	6373	0	0,0
Узбекистан (стабилизация заболеваемости)	Center for Advanced Technologies	90	0	0,0
Уругвай (стабилизация заболеваемости)	Departamento Laboratorios de Salud Pública (DLSP) Ministerio de Salud Pública	339	0	0,0
Федеративные штаты Микронезии (стабилизация заболеваемости)	Pohnpei State Hospital, State Laboratories Division, Hawaii State Department of Health	90	0	0,0

Филиппины (стабилизация заболеваемости)	Philippine Genome Center	16319	0	0,0
Финляндия (стабилизация заболеваемости)	Department of Virology, Faculty of Medicine, University of Helsinki	26431	0	0,0
Франция (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	408123	37	100,0
Французская Гвиана (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	2064	0	0,0
Французская Полинезия (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	13	0	0,0
Хорватия (стабилизация заболеваемости)	Croatian Institute of Public Health	26155	0	0,0
ЦАР (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Sequencing Lab, National Institute for Biomedical Research(INRB)	86	0	0,0
Черногория (стабилизация заболеваемости)	Charité Universitätsmedizin Berlin, Institut für Virologie	616	0	0,0
Чехия (стабилизация заболеваемости)	The National Institute of Public Health	34493	0	0,0
Чили (стабилизация заболеваемости)	Instituto de Salud Publica de Chile	29312	0	0,0
Швейцария (стабилизация заболеваемости)	Department of Biosystems Science and Engineering, ETH Zürich.	58316	0	0,0
Швеция (стабилизация заболеваемости)	The Public Health Agency of Sweden	131648	76	100,0
Шри-Ланка (стабилизация заболеваемости)	Centre for Dengue Research and AICBU, Department of Immunology and Molecular Medicine	1192	0	0,0
Эквадор (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional de Investigaciónes Salud Pública, INSPI	7154	10	90,9
Экваториальная Гвинея (стабилизация заболеваемости)	Swiss Tropical and Public Health Institute	2	0	0,0

Эсватини (стабилизация заболеваемости)	Nhlangano Health Centre(National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service)	766	0	0,0
Эстония (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Communicable Diseases(Estonia); Eurofins Genomics Europe Sequencing GmbH	6252	0	0,0
Эфиопия (стабилизация заболеваемости)	International Centre for Genetic Engineering and Biotechnology(ICGEB) and ARGO Open Lab for Genome Sequencing	272	0	0,0
ЮАР (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform.	28218	3	100,0
Южная Корея (стабилизация заболеваемости)	Division of Emerging Infectious Diseases, Bureau of Infectious Diseases Diagnosis Control, Korea Disease Control and Prevention Agency	165434	3	100,0
Южный Судан (стабилизация заболеваемости)	MRC/UVRI & LSHTM Uganda Research Unit, South Sudan Ministry of Health, WHO South Sudan	28	0	0,0
Ямайка (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	3426	0	0,0
Япония (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Genomics Center, National Institute of Infectious Diseases	476083	161	100,0

Публикации:

1. ACS Appl Mater Interfaces. 2024 May 30. doi: 10.1021/acsami.4c02798. Online ahead of print.

Virological and Mitochondriopathological Characteristics of the SARS-CoV-2 Omicron XBB.1.16 Spike

Вирусологические и митохондриопатические характеристики шипа SARS-CoV-2 Omicron XBB.1.16

[Liaoxin Fang](#), [Xiaofeng Kang](#), [Qian Hong](#) и др.

Появление XBB.1.16 быстро приобрело глобальное значение. Предыдущие исследования показали, что заражение SARS-CoV-2 вызывает изменения в целостности митохондрий клеток-хозяев, что впоследствии влияет на клеточный ответ на инфекцию. В этом исследовании авторы сравнили различия в инфекционности и патогенности между XBB.1.16 и родительскими сублиниями Omicron BA.1 и BA.2 и оценили их влияние на митохондрии хозяина. Их результаты показывают, что по сравнению с BA.1 и BA.2 XBB.1.16 демонстрирует более эффективное расщепление шиповидного белка, более эффективное опосредование образования синцитий, легкую митохондриопатию и меньшую патогенность. В целом эти исследования показывают, что на основе мутации ключевых сайтов XBB.1.16 проявляет повышенную инфекционность, но более низкую патогенность. Это поможет продолжить изучение биологических функций ключевых сайтов мутаций.

2. Int J Mol Sci. 2024 May 17;25(10):5451. doi: 10.3390/ijms25105451.

In Silico Analyses Indicate a Lower Potency for Dimerization of TLR4/MD-2 as the Reason for the Lower Pathogenicity of Omicron Compared to Wild-Type Virus and Earlier SARS-CoV-2 Variants

Анализы *in silico* указывают на более низкую эффективность димеризации TLR4/MD-2 как причину более низкой патогенности Омикрона по сравнению с вирусом дикого типа и более ранними вариантами SARS-CoV-2.

Ralf Kircheis

Варианты SARS-CoV-2 Omicron заменили все более ранние варианты из-за повышенной инфекционности и эффективного уклонения от нейтрализующих антител, индуцированных инфекцией и вакцинацией. По сравнению с более ранними вызывающими обеспокоенность вариантами (VoC), варианты Omicron демонстрируют высокую независимую от TMPRSS2 репликацию в верхних дыхательных путях, но более низкую репликацию в легких и более низкие показатели смертности. Было высказано предположение, что сдвиг клеточного тропизма в сторону более низкой патогенности Omicron коррелирует с более низкой активацией

toll-подобных рецепторов (TLR), хотя лежащие в основе молекулярные механизмы остаются неопределенными. Анализы *in silico*, представленные авторами, показывают, что белок-шип Omicron обладает меньшей способностью индуцировать димеризацию TLR4/MD-2 по сравнению с вирусом дикого типа, несмотря на сопоставимую активность связывания с TLR4. Представлена модель, иллюстрирующая молекулярные последствия различной эффективности шипового белка Omicron по сравнению с шиповым белком дикого типа для активации TLR4. Дальнейшие анализы указывают на явную тенденцию к снижению потенциала димеризации TLR4 во время эволюции вариантов SARS-CoV-2 от альфа до гамма, от дельта до омикрон.

3. Int J Mol Sci. 2024 May 7;25(10):5079. doi: 10.3390/ijms25105079.

Screening of Small-Molecule Libraries Using SARS-CoV-2-Derived Sequences Identifies Novel Furin Inhibitors

Скрининг библиотек малых молекул с использованием последовательностей, полученных из SARS-CoV-2, позволил выявить новые ингибиторы фурина

Alireza Jorkesh, Sylvia Rothenberger, Laura Baldassar и др.

Ключевым этапом жизненного цикла SARS-CoV-2 является созревание оболочечного гликопротеина по мотиву RARR685↓ под действием клеточного фермента фурина. Ингибирование этого расщепления сильно влияет на распространение вируса, что представляет собой идеальную мишень для сдерживания инфекции. Важно отметить, что варианты, ускользящие от фурина, не были обнаружены, что позволяет предположить, что патоген не может каким-либо образом заменить эту протеазу. Авторы разработали новый флюорогенный субстрат, полученный из SARS-CoV-2, для скрининга коммерчески доступных и изготовленных по индивидуальному принципу библиотек малых молекул для идентификации новых ингибиторов фурина. Они обнаружили, что пептидный субстрат, имитирующий сайт расщепления оболочечного гликопротеина варианта Омикрон (QTQTKSHRRAR-AMC), является превосходным инструментом для скрининга активности фурина по сравнению с коммерчески доступным субстратом Руг-RTKR-AMC. Используя эту настройку, они выявили новые соединения, способные модулировать активность фурина *in vitro* и пригодные для вмешательства в созревание SARS-CoV-2. В частности, показали, что 3-((5-((5-бромтиофен-2-ил)метил)-4-оксо-4,5-дигидротиазол-2-ил)(3-хлор-4-метилфенил)амино)пропановая кислота (P3, IC₅₀ = 35 мкМ) может представлять собой привлекательный химический каркас для разработки более эффективных противовирусных препаратов благодаря механизму действия, который, возможно, предполагает нацеливание на вторичные сайты фурина (экзозиты), а не на его канонический каталитический карман. В целом, пептид, полученный из SARS-

CoV-2, был исследован в качестве нового субстрата для высокопроизводительного скрининга (HTS) ингибиторов фурина *in vitro* и позволил идентифицировать соединение P3 как многообещающее средство с инновационным химическим каркасом с перспективой использования в качестве противовирусного средства.

4. Pak J Biol Sci. 2024 Mar;27(4):182-189. doi: 10.3923/pjbs.2024.182.189.

Dynamic Evolution of SARS-CoV-2 in West Sumatra: Analyzing S Gene Mutations Across Variants and Their Impact on Public Health and Vaccine Strategies

Динамическая эволюция SARS-CoV-2 на западе Суматры: анализ мутаций S-гена в различных вариантах и их влияние на общественное здравоохранение и стратегии вакцинации

Linosefa Linosefa, Hasmiwati Hasmiwati, Jamsari Jamsari, Andani Eka Putra

В таких регионах, как Западная Суматра, Индонезия, отсутствует тщательный геномный анализ, что побудило авторов проанализировать мутации гена S во время трех пандемических волн в этом регионе. Секвенирование следующего поколения было проведено с помощью прибора Illumina MiSeq с использованием набора данных из 352 анонимных образцов, собранных в период с марта 2020 г. по ноябрь 2022 г., и тщательного анализа мутации гена S с использованием CLC Genomics Workbench, 21 версия 21.0.3. Статистический анализ оценивал распространенность мутаций с течением времени, исследуя связи с клиническими исходами. Результаты выявили значительную вариабельность профилей мутаций в разных вариантах. Примечательно, что вариант Омикрон (21K) демонстрировал высокую частоту мутаций, что свидетельствует о повышенных способностях уклонения от иммунитета. Сравнительный анализ выявил эволюционные тенденции: от ранних вариантов с меньшим количеством мутаций до высокоадаптированных форм, таких как Дельта (21I) и Омикрон. Динамичный характер эволюции SARS-CoV-2 подчеркивает важность постоянного наблюдения, быстрого реагирования общественного здравоохранения и адаптации вакцин. Это исследование дает ценную информацию об эволюции вируса, подчеркивая необходимость постоянных исследований, глобального сотрудничества и адаптируемых стратегий вакцинации для эффективного управления развивающейся угрозой COVID-19.

5. Vaccines (Basel). 2024 May 7;12(5):505. doi: 10.3390/vaccines12050505.

Antigenic Characterization of Circulating and Emerging SARS-CoV-2 Variants in the U.S. throughout the Delta to Omicron Waves

Антигенная характеристика циркулирующих и новых вариантов SARS-CoV-2 в США во время вызванных вариантами волн от дельта до омикрона

Han Di, Elizabeth A Pusch, Joyce Jones, и др.

В США, в рамках Национальной программы наблюдения за штаммами SARS-CoV-2 (NS3), инициированной CDC, получены тысячи клинических образцов SARS-CoV-2 со всей страны для характеристики генотипа и фенотипа. Реакцию нейтрализации подавления бляшкообразования с различными антисыворотками использовали для антигенной характеристики 143 субвариантов SARS-CoV-2 Delta, Mu и Omicron из выбранных клинических образцов, полученных в период с мая 2021 по февраль 2023 года. В общей сложности получены 59 уникальных последовательностей белков-шипов. BA.4/5 подварианты BU.1, BQ.1.1, CR.1.1, CQ.2 и BA.4/5 + D420N + K444T; BA.2.75 подварианты BM.4.1.1, BA.2.75.2, CV.1; и рекомбинантные варианты Омикрона XBF, XBB.1, XBB.1.5 показали наибольшую способность к уклонению от нейтрализующих антител. Бивалентная сыворотка вакцинированных после четвертой дозы обеспечивала лучшую защиту от этих субвариантов, но существенное снижение титров нейтрализации все же наблюдалось, особенно среди субвариантов BA.4/5 с делецией как N-концевого домена (NTD), так и с заменой K444M + N460K в рецептор-связывающем домене (RBD) и рекомбинантных вариантов Омикрон. Этот анализ продемонстрировал основу для долгосрочной систематической генотипической и антигенной характеристики циркулирующих и новых вариантов SARS-CoV-2 в США, что имеет решающее значение для оценки их потенциального влияния на эффективность существующих вакцин и рекомендации по антигенам для будущих обновлений.

6. Viruses. 2024 Apr 28;16(5):697. doi: 10.3390/v16050697.

SARS-CoV-2 Omicron: Viral Evolution, Immune Evasion, and Alternative Durable Therapeutic Strategies

SARS-CoV-2 Омикрон: эволюция вируса, уклонение от иммунитета и альтернативные долгосрочные терапевтические стратегии

Hailong Guo, Sha Ha, Jason W Botten и др.

Обзор. Поскольку вирус SARS-CoV-2 Omicron завоевал доминирование во всем мире, его постоянная эволюция с непредсказуемыми мутациями и закономерностями привела к отмене всех разрешенных иммунотерапевтических препаратов. Быстрая эволюция вируса также потребовала нескольких раундов обновления вакцин, чтобы обеспечить адекватную иммунную защиту. По-прежнему крайне важно понять, как Омикрон развивается в различные подварианты и обеспечивает ускользание от иммунитета, поскольку это может помочь переоценить

текущие стратегии, которые в основном реализуются в клиниках в качестве экстренных мер для борьбы с пандемией, и, что важно, разработать новые решения. Рассмотрены основные события эволюции вируса Омикрон, включая особенности шиповых мутаций, которые приводят к уклонению от иммунитета, от терапии и вакцинации моноклональными антителами (mAb), а также предлагаются альтернативные долгосрочные варианты, такие как экспериментальные методы лечения на основе ACE2.