

**Дмитриева Л. Н., Чумачкова Е.А., Краснов Я.М., Осина Н. А.,
Зиминова А.А., Иванова А.В., Карнаухов И. Г., Караваева Т.Б.,
Щербакова С. А., Кутырев В. В**

Распространение вариантов вируса SARS-COV-2, вызывающих интерес (VOI) и находящихся под наблюдением (VUM), на основе количества их геномов, депонированных в базу данных GISAID за неделю с 18 по 24 мая 2024 г.

*ФКУН Российский научно-исследовательский противочумный институт
«Микроб» Роспотребнадзора, Саратов, Российская Федерация*

В обзоре представлена информация по циркулирующим в настоящее время вариантам вируса SARS-COV-2 Omicron вызывающих интерес (VOI) и находящихся под наблюдением (VUM), геномные последовательности которых размещены в международной базе данных GISAID за неделю с 18 по 24 мая 2024 г.

По состоянию на 24 мая 2024 г. в соответствии с классификацией ВОЗ к вариантам вируса SARS-COV-2, вызывающих интерес (VOI), отнесены пять субвариантов: XBB.1.5, XBB.1.16, EG.5, BA.2.86 и JN.1. В группу вариантов VUM включены четыре субварианта, а именно JN.1.7, KP.2, KP.3, JN.1.18.

На сегодняшний день в базе данных GISAID всего представлено 16 755 824 генома вируса SARS-COV-2 (за неделю депонировано 10 820 геномных последовательностей). В мире странами – лидерами по количеству депонированных геномных последовательностей вируса SARS-CoV-2 остаются США – (5 126 494 генома – 30,6% от всех размещенных в GISAID) и Великобритания (3 155 603 генома – 18,8%).

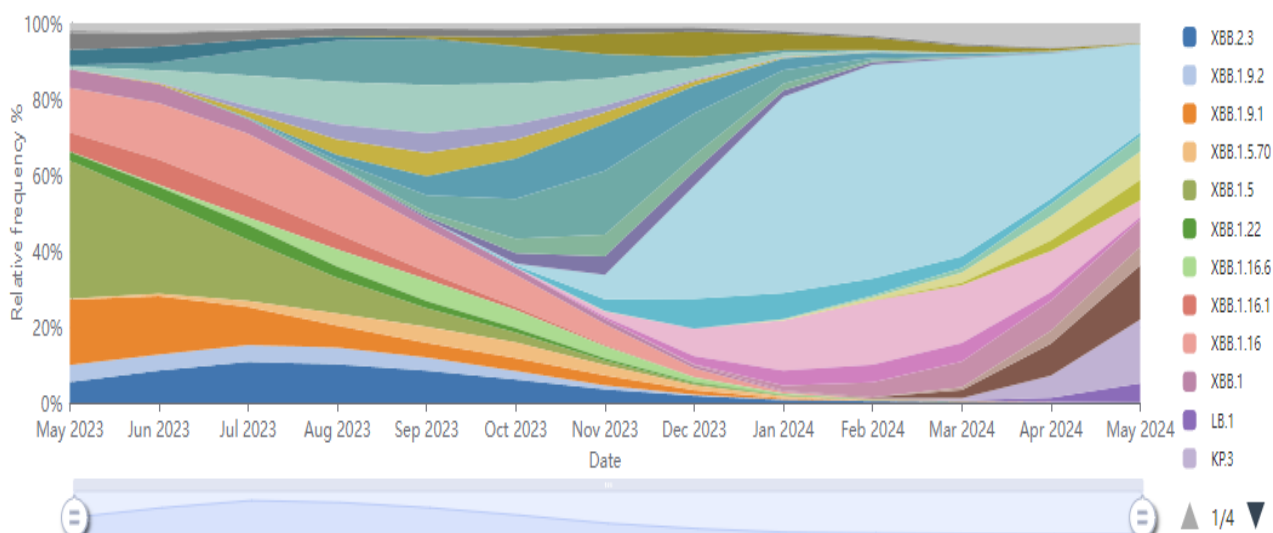
Всего в базу данных GISAID депонировано 9 241 376 геномов варианта Omicron, за анализируемую неделю размещено еще 10 431 геномных последовательностей – 96,4% от всех представленных за текущую неделю геновариантов вируса SARS-CoV-2 (на прошлой неделе – 98,9%). Российскими лабораториями размещено 86 489 геномов SARS-COV-2, в том числе варианта Omicron – 54 068 геномных последовательностей.

На сегодняшний день в базе данных GISAID зафиксировано депонирование варианта Omicron из 215 стран и территорий.

На сегодняшний день в базе данных GISAID зафиксировано депонирование варианта Omicron из 215 стран и территорий (на предыдущей неделе – 215): Австралия, Австрия, Азербайджан, Албания, Алжир, Американское Самоа, Андорра, Ангола, Антигуа и Барбуда, Ангилья, Аргентина, Армения, Аруба, Афганистан, Бангладеш, Барбадос, Бахрейн, Беларусь, Бельгия, Бермудские Острова, Белиз, Бенин, Болгария, Боливия, Ботсвана, Босния и Герцеговина, Бонайре, Бразилия, Бруней, Британские Виргинские острова, Бутан, Бурунди, Буркина-Фасо, Великобритания, Венесуэла, Венгрия, Виргинские Острова (США), Вьетнам, Гана, Гаити, Гамбия, Гайана, Гваделупа, Гватемала, Гвинея, Германия, Гибралтар, Гондурас, Гонконг, Гренада, Греция, Грузия, Гуам, Габон, Дания, Джибути, Доминиканская Республика, Доминика, ДРК Демократическая Республика Восточный Тимор, Демократическая Республика

Сан-Томе и Принсипи, Египет, Замбия, Зимбабве, Израиль, Индия, Индонезия, Иордания, Ирак, Иран, Ирландия, Исландия, Испания, Италия, Кабо-Верде, Казахстан, Каймановы Острова, Камбоджа, Камерун, Канада, Катар, Кения, Кипр, Китай, Кирибати, Колумбия, Косово, Коста-Рика, Кот-д'Ивуар, Куба, Кувейт, Кыргызстан, Кюрасао, Лаос, Латвия, Либерия, Ливан, Ливия, Лихтенштейн, Литва, Лесото (Королевство Лесото), Люксембург, Мадагаскар, Маврикий, Мавритания, Макао, Малави, Малайзия, Мальдивы, Мальта, Мали, Марокко, Мартиника, Маршалловы Острова, Майотта, Мексика, Мозамбик, Молдова, Монако, Монголия, Монтсеррат, Мьянма, Микронезия, Намибия, Нидерланды, Нигер, Нигерия, Непал, Независимое государство Самоа, Ниуэ, Норвегия, Новая Зеландия, Новая Каледония, Никаргуа, Оман, ОАЭ, Острова Кука, Пакистан, Палестина, Панама, Палау, Парагвай, Папуа Новая Гвинея, Перу, Португалия, Польша, Пуэрто-Рико, Реюньон, Республика Конго, Республика Сейшельские Острова, Республика Гвинея-Бисау, Респблика Вануту, Румыния, Россия, Руанда, Сальвадор, Сен-Мартен, Синт-Мартен, Саудовская Аравия, Северная Македония, Северные Марианские острова, Сенегал, Союз Коморских Островов, Сьерра-Леоне, Словакия, Словения, Сингапур, Сирия, США, Сент-Китс и Невис, Сент-Винсент и Гренадины, Сент-Люсия, Синт-Мартен, Содружество Багамских Островов, Сомали, Судан, Таиланд, Тайвань, Танзания, Теркс и Кайкос, Того, Тонга, Тринидад и Тобаго, Тунис, Турция, Уганда, Узбекистан, Украина, Уругвай, Финляндия, Франция, Французская Гвиана, Французская Полинезия, Филиппины, Хорватия, Черногория, Чехия, Чили, Чад, ЦАР, Швеция, Швейцария, Шри-Ланка, Эквадор, Эстония, Эсватини, Эфиопия, Экваториальная Гвинея, ЮАР, Южная Корея, Южный Судан, Япония, Ямайка.

За последние 4 недели 25 стран (11,6%) (за предыдущие – 27 стран (12,6%)) дополнили данные о депонировании геномных последовательностей Omicron в GISAID. Динамика распространения в мире субвариантов Omicron секвенированных и загруженных в базу данных GISAID представлена на рисунке 1. Как и на прошедшей неделе среди циркулирующих в настоящее время штаммов SARS-CoV-2 в мире доминируют пять сублиний варианта BA.2.86: JN.1, KP.3, KP.2, JN.1.6 и JN.1.7.








JN.1 –  KP.3 –  KP.2 –  JN.1.6. –  JN.1.7 – 

Рисунок 1. Распространение субвариантов Omicron в мире (по состоянию на 24 мая 2024 г.)

В регионе Юго-Восточной Азии преобладают субварианты JN.1, KP.2, JN.1.6, JN.1.11.1 и JN.1.4 (рис. 2), в Европейском регионе – JN.1, KP.2, KP.3, JN.1.7 и JN.1.6 (рис 3), в Западно-Тихоокеанском регионе – JN.1, KP.3, JN.1.6, KP.2 и JN.1.11.1 (рис. 4), в регионе Северной и Южной Америки – KP.3, JN.1, KP.2, JN.1.7 и LB.1 (рис. 5).

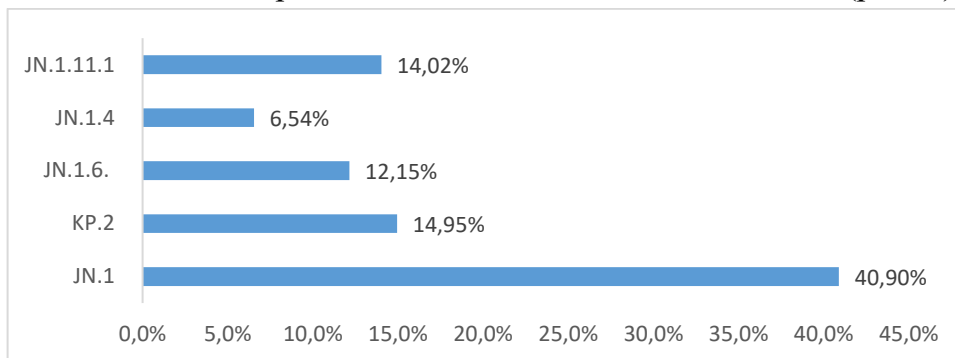


Рисунок 2. Распространение субвариантов Omicron в регионе Юго-Восточной Азии (по состоянию на 24 мая 2024 г.)

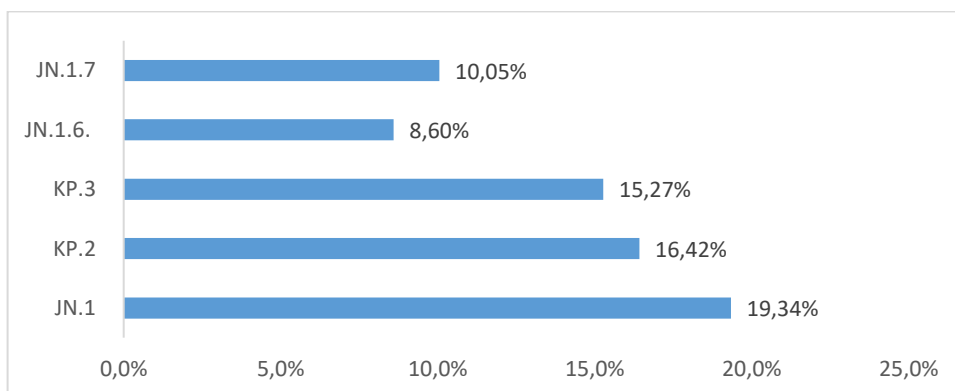


Рисунок 3. Распространение субвариантов Omicron в Европейском регионе (по состоянию на 24 мая 2024 г.)

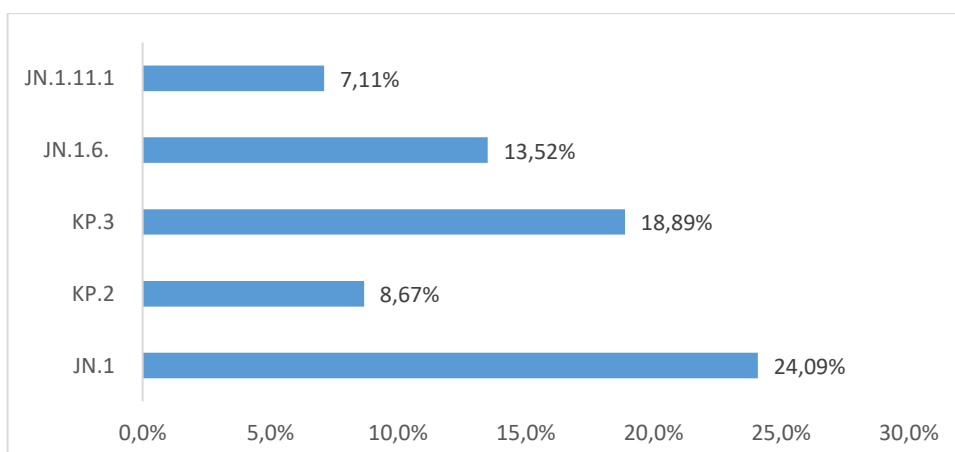


Рисунок 4. Распространение субвариантов Omicron в Западно-Тихоокеанском регионе (по состоянию на 24 мая 2024 г.)

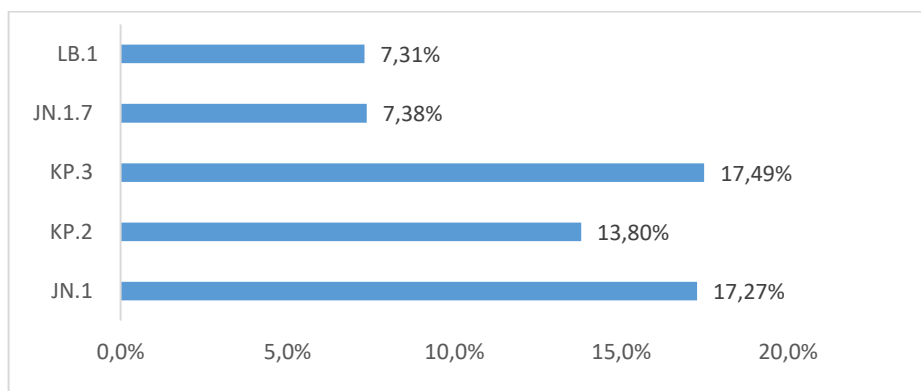


Рисунок 5. Распространение субвариантов Omicron в регионе Северной и Южной Америки (по состоянию на 24 мая 2024 г.)

Варианты, вызывающие интерес (VOI)

По состоянию на 24 мая 2024 г. распространение субвариантов XBB.1.5 и XBB.1.16 в мире за прошедшую неделю осталось стабильным на уровне 0,1%. Распространение субварианта EG.5 снизилось с 0,5% до 0,3%, BA.2.86 – с 0,7% до 0,6%.

В базу данных GISAID EpiCoV последовательности, относящиеся к XBB.1.5 (Kraken) депонированы из 149 стран, субварианта XBB.1.16 (Arcturus) - лабораториями 132 стран. За прошедшие 4 недели геномы XBB.1.5 и XBB.1.16 в GISAID не размещались. Геномные последовательности субварианта EG.5 (Eris) секвенированы лабораториями 111 стран (за последние 4 недели – 3 генома из США и Канады. Субвариант BA.2.86 (Pirola) по состоянию на 24 мая 2024 г. циркулирует в 98 странах (на прошлой неделе – 97 стран), за последние 4 недели в базу данных GISAID депонировано 23 геномные последовательности из 7 стран.

Геномные последовательности субварианта JN.1 представлены из 132 стран (на прошлой неделе из 131 страна), распространенность составила 89,6% (-3,6% за прошедшую неделю). Удельный вес субварианта среди секвенированных и размещенных в базе данных GISAID за последние 4 недели составил в Сингапуре – 100%, Австралии – 99,1%, Ирландии – 98,7%, Канаде – 95,8%, в Новой Зеландии – 95,7%, США – 94,2%, Великобритании – 92%, на Тайване – 90,7%, в Китае – 88,5%, Испании – 81,4%.

Варианты, находящиеся под наблюдением (VUM)

С момента идентификации в базе данных GISAID депонировано около 6-ти тысяч геномных последовательностей субварианта JN.1.7 из 52 стран (США – 48,9%). Субвариант JN.1.18 секвенирован в 57 странах (более 2 тыс. последовательностей).

Субвариант KP.2 циркулирует в 32 странах, наибольшее распространение зарегистрировано в Швеции, США, Камбодже, Великобритании, Сингапуре, Ирландии.

Субвариант KP.3 обнаружен как минимум в 22 странах, большинство геномных последовательностей в GISAID размещено из Канады, Австралии и Великобритании.

По данным ВОЗ зарегистрированные случаи заболевания, вызванные субвариантами KP.2 и KP.3, составляют 9,6% и 20% случаев во всем мире (<https://www.forbes.com/sites/ariannajohnson/2024/05/22/covids-new-flirt-variants-what-to-know-as-experts-fear-summer-surge/?sh=4cae8dd4d705>). В Сингапуре на KP.1 и KP.2 в совокупности приходится две трети случаев COVID-19, в США 28,2% случаев заболевания связаны с KP.2. В России за весь период мониторинга выявлено 178 случаев заражения вариантами коронавируса FLiRT (<https://www.43.rospotrebnadzor.ru/news/detail.php?ID=12106>).

FLiRT - этот термин используется для описания целого семейства различных вариантов, которые, по-видимому имеют один и тот же набор мутаций. Это называется конвергентной эволюцией. Все они являются потомками варианта JN.1. Конкретные мутации, которые люди называют “FLiRT” относятся к определенным позициям в белке spike — в данном случае к позициям 456, 346 и 572 (<https://publichealth.jhu.edu/2024/what-to-know-about-covid-flirt-variants>). Название “FLiRT” основано на технических названиях мутаций белка spike в вариантах или специфических изменений аминокислот. Каждая аминокислота имеет свою собственную буквенную аббревиатуру. FLiRT - это F456L + R346T, или переход фенилаланина (F) в лейцин (L) в позиции 456 и аргинина (R) в треонин (T) в позиции 346 (<https://www.today.com/health/coronavirus/new-covid-variant-flirt-name-meaning-rcna152650>).

Информация по обновленным данным о депонированных геномах вируса SARSCOV- 2 варианта **Omicron** (B.1.1.529+BA.*) в базе GISAID дана в таблице 1.

Таблица 1 – Количество депонированных геномов вариантов вируса SARS-CoV-2 Omicron (B.1.1.529+BA.*) в базе GISAID

Страна	Учреждение, проводившее секвенирование	Количество депонированных геномов Omicron (B.1.1.529)	В том числе количество геномов Omicron, депонированных за последние 4 недели (27.04. – 24.05.2024 г.)	Процент геномов, относящихся к варианту Omicron (B.1.1.529), депонированных за последние 4 недели
Австралия (стабилизация заболеваемости)	NSW Health Pathology – Institute of Clinical Pathology and Medical Research; Westmead Hospital; University of Sydney	178283	465	100,0
Австрия (стабилизация заболеваемости)	Bergthaler laboratory, CeMM Research Center for Molecular Medicine of the Austrian Academy of Sciences	194365	0	0,0
Азербайджан стабилизация заболеваемости)	National Hematology and Transfusiology Center	39	0	0,0
Албания (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Virus Unit, National Infection Service, Public Health England	1018	0	0,0
Алжир (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	722	0	0,0
Американские Виргинские острова (стабилизация заболеваемости)	UW Virology Lab	1451	0	0,0
Американское Самоа (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	157	0	0,0
Ангилья (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	54	0	0,0
Ангола (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform	169	0	0,0

Андорра (стабилизация заболеваемости)	Instituto de Salud Carlos III	323	0	0,0
Антигуа и Барбуда (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies, St Augustine Campus	131	0	0,0
Аргентина (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional Enfermedades Infecciosas C.G.Malbran	10464	0	0,0
Армения (стабилизация заболеваемости)	Institute of Molecular Biology NAS RA, Republic of Armenia, Department of Bioengineering, Bioinformatics Institute and Molecular Biology IBMPH RAU, Republic of Armenia	17	0	0,0
Аруба (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	1060	0	0,0
Афганистан (стабилизация заболеваемости)	Central Public Health Lab	22	0	0,0
Багамские острова (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Respiratory Viruses and Measles, Oswaldo Cruz Institute, FIOCRUZ	109	0	0,0
Бангладеш (стабилизация заболеваемости)	Child Health Research Foundation	2326	0	0,0
Барбадос (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Building 36, First Floor Biochemistry Unit, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	272	15	100,0
Бахрейн (стабилизация заболеваемости)	Communicable Disease Laboratory, Public Health Directorate	7501	0	0,0
Беларусь (стабилизация заболеваемости)	Laboratory for HIV and opportunistic infections diagnosis The Republican Research and Practical Center for Epidemiology and Microbiology(RRPCEM)	120	0	0,0
Белиз (стабилизация заболеваемости)	Texas Children's Microbiome Center	703	0	0,0
Бельгия (стабилизация заболеваемости)	KU Leuven, Rega Institute, Clinical and Epidemiological Virology	99935	0	0,0

Бенин (стабилизация заболеваемости)	Institut für Virologie – Institute of Virology – Charite	518	0	0,0
Бермудские острова (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Virus Unit, National Infection Service, Public Health England	210	0	0,0
Болгария (стабилизация заболеваемости)	National Center of Infectious and Parasitic Diseases	7924	0	0,0
Боливия (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Respiratory Viruses and Measles, Oswaldo Cruz Institute, FIOCRUZ	323	0	0,0
Бонэйр (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	1081	0	0,0
Босния и Герцеговина (стабилизация заболеваемости)	University of Sarajevo, Veterinary Faculty, Laboratory for Molecular Diagnostic and Research Laboratory	263	0	0,0
Ботсвана (стабилизация заболеваемости)	Botswana Institute for Technology Research and Innovation	3455	0	0,0
Бразилия (стабилизация заболеваемости)	Instituto Adolfo Lutz, Interdisciplinary Procedures Center, Strategic Laboratory	127326	5	100,0
Британские Виргинские Острова (стабилизация заболеваемости)	Caribbean Public Health Agency	46	0	0,0
Бруней (стабилизация заболеваемости)	National Public Health Laboratory, National Centre for Infectious Diseases(National Virology Reference Laboratory)	6411	0	0,0
Бутан (стабилизация заболеваемости)	AFRIMS	100	0	0,0
Буркина-Фасо (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire bacteriologie virologie CHUSS	87	0	0,0
Бурунди (стабилизация заболеваемости)	MRC/UVRI & LSHTM Uganda Research Unit, National Institute of Public Health	93	0	0,0
Великобритания (стабилизация заболеваемости)	COVID–19 Genomics UK (COG–UK) Consortium. Wellcome Sanger Institute for the COVID–19 Genomics UK (COG–UK) consortium.	1527192	1479	100,0

Венгрия (стабилизация заболеваемости)	National Laboratory of Virology, Szentágothai Research Centre	674	0	0,0
Венесуэла (стабилизация заболеваемости)	Laboratorio de Virología Molecular	829	0	0,0
Вьетнам (стабилизация заболеваемости)	National Influenza Center, National Institute of Hygiene and Epidemiology(NIHE)	6682	0	0,0
Габон (стабилизация заболеваемости)	Centre de recherches médicales de Lambaréné(CERMEL)	2	0	0,0
Гаити (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire National de Santé Publique – LNSP(HAITI – LNSP)	490	0	0,0
Гайана (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	102	0	0,0
Гамбия (стабилизация заболеваемости)	MRCG at LSHTM Genomics lab	333	0	0,0
Гана (стабилизация заболеваемости)	Department of Biochemistry, Cell and Molecular Biology, West African Centre for Cell Biology of Infectious Pathogens(WACCBIP), University of Ghana	2440	10	100,0
Гваделупа (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	699	0	0,0
Гватемала (стабилизация заболеваемости)	Asociación de Salud Integral/Clínica Familiar Luis Ángel García	4521	0	0,0
Гвинея (стабилизация заболеваемости)	Centre de Recherche et de Formation en Infectiologie Guinée	536	0	0,0
Гвинея-Бисау (стабилизация заболеваемости)	MRCG at LSHTM, Genomics lab	20	0	0,0
Германия (стабилизация заболеваемости)	Charité Universitätsmedizin Berlin, Institut für Virologie. Institute of infectious medicine & hospital hygiene, CaSe–Group.	584229	29	100,0
Гибралтар (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Virus Unit, National Infection Service, Public Health England	122	0	0,0
Гондурас (стабилизация заболеваемости)	Genomics and Proteomics Department, Gorgas Memorial Institute For Health Studies	271	0	0,0

Гонконг (стабилизация заболеваемости)	Hong Kong Department of Health	13949	0	0,0
Гренада	WINDREF/SGU Laboratory	112	0	0,0
Греция (стабилизация заболеваемости)	Greek Genome Center, Biomedical Research Foundation of the Academy of Athens(BRFAA)	26022	0	0,0
Грузия (стабилизация заболеваемости)	Department for Virology, Molecular Biology and Genome Research, R. G. Lugar Center for Public Health Research, National Center for Disease Control and Public Health(NCDC) of Georgia.	2630	0	0,0
Гуам (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	508	0	0,0
Дания (стабилизация заболеваемости)	Albertsen lab, Department of Chemistry and Bioscience, Aalborg University. Department of Virus and Microbiological Special Diagnostics, Statens Serum Institut.	389571	0	0,0
Доминика (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies, St Augustine Campus	10	0	0,0
Доминиканская Республика (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Viruses Branch, Centers for Disease Control and Prevention, USA	2138	0	0,0
Демократическая Республика Конго (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Sequencing Lab, National Institute for Biomedical Research(INRB)	597	0	0,0
ДР Сент Томе и Принсипи (стабилизация заболеваемости)	LNR-TB	1	0	0,0
Египет (стабилизация заболеваемости)	Main Chemical Laboratories Egypt Army	2793	0	0,0
Замбия (стабилизация заболеваемости)	University of Zambia, School of Veterinary Medicine	1269	0	0,0
Зимбабве (стабилизация заболеваемости)	National Microbiology Reference Laboratory(Quadram Institute Bioscience)	316	0	0,0

Израиль (стабилизация заболеваемости)	Central Virology Laboratory, Israel Ministry of Health	120970	0	0,0
Индия (стабилизация заболеваемости)	Department of Neurovirology, National Institute of Mental Health and Neurosciences(NIMHANS).CSIR–Centre for Cellular and Molecular Biology	147286	0	0,0
Индонезия (стабилизация заболеваемости)	National Institute of Health Research and Development	41151	0	0,0
Иордания (стабилизация заболеваемости)	Andersen lab at Scripps Research, CA, USA	293	0	0,0
Ирак (стабилизация заболеваемости)	Biology, College of Education Department of Virology, Faculty of Medicine, University of Helsinki, Helsinki, Finland generated and submitted to GISAID	431	0	0,0
Иран (стабилизация заболеваемости)	National Reference Laboratory for COVID–19, Pasteur Institute of Iran	2875	0	0,0
Ирландия (стабилизация заболеваемости)	National Virus Reference Laboratory	62494	156	100,0
Исландия (стабилизация заболеваемости)	Landspítali Department of Clinical Microbiology	11645	0	0,0
Испания (стабилизация заболеваемости)	Hospital Universitario 12 de Octubre	149800	226	89,3
Италия (стабилизация заболеваемости)	Army Medical Center, Scientific Department, Virology Laboratory	99475	7	100,0
Кабо–Верде (стабилизация заболеваемости)	Institut Pasteur de Dakar	772	0	0,0
Казахстан (стабилизация заболеваемости)	Reference laboratory for the control of viral infections	2837	0	0,0
Камбоджа (стабилизация заболеваемости)	Virology Unit, Institut Pasteur du Cambodge	2020	5	100,0
Камерун (стабилизация заболеваемости)	CREMER(Centre de Recherches sur les Maladies Emergentes et Ré–émergentes)	1348	0	0,0
Канада (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de santé publique du Québec	367983	1258	100,0
Каймановы острова	Cayman Islands Molecular Biology Laboratory	286	0	0,0

Катар (стабилизация заболеваемости)	Biomedical Research Center(BRC), Qatar University / Qatar Genome Project(QGP)	1718	0	0,0
Кения (стабилизация заболеваемости)	KEMRI–Wellcome Trust Research Programme/KEMRI–CGMR–C Kilifi	6311	0	0,0
Кипр (стабилизация заболеваемости)	Department of Molecular Virology, Cyprus Institute of Neurology and Genetics	4425	0	0,0
Китай (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Viral Disease Control and Prevention	76499	174	100,0
Колумбия (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional de Salud– Dirección de Investigación en Salud Pública	16106	0	0,0
Коморские острова (стабилизация заболеваемости)	KEMRI–Wellcome Trust Research Programme/KEMRI–CGMR–C Kilifi	11	0	0,0
Косово (стабилизация заболеваемости)	Charité Universitätsmedizin Berlin, Institut für Virologie	946	0	0,0
Коста–Рика (стабилизация заболеваемости)	Inciensa, Instituto Costarricense de Investigación y Enseñanza en Nutrición y Salud	10210	0	0,0
Кот Д'Ивуар (стабилизация заболеваемости)	Molecular diagnostic unit for viral haemorrhagic fevers and emerging viruses, Bouaké CHU Laboratory	310	0	0,0
Куба (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Infections Laboratory	645	0	0,0
Кувейт (стабилизация заболеваемости)	Virology Unit, Department of Microbiology, Faculty of Medicine, Kuwait	996	0	0,0
Кыргызстан (стабилизация заболеваемости)	SRC VB “Vector”, “Collection of microorganisms” Department	45	0	0,0
Кюрасао (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	1308	0	0,0
Лаос (стабилизация заболеваемости)	LOMWRU/Microbiology Laboratory, Mahosot Hospital	1040	0	0,0
Латвия (стабилизация заболеваемости)	Latvian Biomedical Research and Study Centre	14445	0	0,0
Лесото (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service	155	0	0,0

Либерия (стабилизация заболеваемости)	Center for Infection and Immunity, Columbia University	68	0	0,0
Ливан (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Molecular Biology and Cancer Immunology, Lebanese University Public Health England	1015	0	0,0
Ливия (стабилизация заболеваемости)	Reference Lab for Public Health, NCDC	31	0	0,0
Литва (стабилизация заболеваемости)	Vilnius University Hospital Santaros Klinikos, Center of Laboratory Medicine	13447	0	0,0
Лихтенштейн (стабилизация заболеваемости)	Bergthaler laboratory, CeMM Research Center for Molecular Medicine of the Austrian Academy of Sciences	1383	0	0,0
Люксембург (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire national de santé, Microbiology, Microbial Genomics Platform	38121	0	0,0
Макао (стабилизация заболеваемости)	Centro de Sequenciamento Genômico	1	0	0,0
Маврикий (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	7996	0	0,0
Мавритания (стабилизация заболеваемости)	INRSP-Mauritania	7	0	0,0
Майотта (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	375	0	0,0
Малайзия (стабилизация заболеваемости)	Institute for Medical Research, Infectious Disease Research Centre, National Institutes of Health, Ministry of Health Malaysia	35775	14	100,0
Малави (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform	283	0	0,0
Мали (стабилизация заболеваемости)	Northwestern University – Center for Pathogen Genomics and Microbial Evolution	161	0	0,0
Мальдивы (стабилизация заболеваемости)	Indira Gandhi Memorial Hospital	333	0	0,0
Мальта (стабилизация заболеваемости)	Molecular Diagnostics Pathology Department Mater Dei Hospital Malta	163	0	0,0

Маршалловы острова (стабилизация заболеваемости)	State Laboratories Division, Hawaii State Department of Health	42	0	0,0
Марокко (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de Biotechnologie	1358	0	0,0
Мартиника (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	1543	0	0,0
Мексика (стабилизация заболеваемости)	Instituto de Diagnóstico y Referencia Epidemiológicos (INDRE)	48056	0	0,0
Мозамбик (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform, South Africa	801	0	0,0
Молдавия (стабилизация заболеваемости)	ONCOGENE LLC	698	0	0,0
Монако (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	19	0	0,0
Монголия (стабилизация заболеваемости)	National Centre for Communication Disease (NCCD) National Influenza Center	1069	0	0,0
Монтсеррат (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	12	0	0,0
Мьянма (стабилизация заболеваемости)	DSMRC	191	0	0,0
Намибия (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service	877	0	0,0
Непал (стабилизация заболеваемости)	Molecular and Genomics Research Lab, Dhulikhel Hospital, Kathmandu University Hospital School of Public Health, The University of Hong Kong	1301	0	0,0
Нигер (стабилизация заболеваемости)	National Reference Laboratory, Nigeria Centre for Disease Control	128	0	0,0
Нигерия (стабилизация заболеваемости)	African Centre of Excellence for Genomics of Infectious Diseases(ACEGID), Redeemer's University	3474	0	0,0
Нидерланды (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	85438	0	0,0

Ниуэ	Institute of Environmental Science and Research (ESR)	39	0	0,0
Новая Зеландия (стабилизация заболеваемости)	Institute of Environmental Science and Research(ESR)	40728	253	100,0
Новая Каледония (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de Microbiologie Centre Hospitalier Territorial de Nouvelle-Calédonie	96	0	0,0
Норвегия (стабилизация заболеваемости)	Norwegian Institute of Public Health, Department of Virology	36334	0	0,0
ОАЭ (стабилизация заболеваемости)	Wellcome Sanger Institute for the COVID–19 Genomics UK(COG–UK) Consortium	734	0	0,0
Оман (стабилизация заболеваемости)	Oman–National Influenza Center	739	0	0,0
Острова Кука	Institute of Environmental Science and Research (ESR)	189	0	0,0
Пакистан (стабилизация заболеваемости)	Department of Virology, Public Health Laboratories Division	3613	0	0,0
Палау (стабилизация заболеваемости)	Can Ruti SARS-CoV-2 Sequencing Hub (HUGTiP/IrsiCaixa/IGTP)	74	0	0,0
Палестина (стабилизация заболеваемости)	Biochemistry and Molecular Biology Department–Faculty of Medicine, Al–Quds University	117	0	0,0
Панама (стабилизация заболеваемости)	Gorgas memorial Institute For Health Studies	3342	0	0,0
Папуа Новая Гвинея (стабилизация заболеваемости)	Queensland Health Forensic and Scientific Services	924	0	0,0
Парагвай (стабилизация заболеваемости)	Laboratorio Central de Salud Publica de Paraguay	2438	0	0,0
Перу (стабилизация заболеваемости)	Laboratorio de Referencia Nacional de Biotecnología y Biología Molecular. Instituto Nacional de SaludPerú	39471	0	0,0
Польша (стабилизация заболеваемости)	genXone SA, Research & Development Laboratory	47268	0	0,0
Португалия (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional de Saude(INSA)	24444	10	100,0

Пуэрто Рико (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	20512	0	0,0
Республика Вануату (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit - Public Health Laboratory (MDU-PHL)	100	0	0,0
Республика Джибути (стабилизация заболеваемости)	Naval Medical Research Center Biological Defense Research Directorate	633	0	0,0
Республика Кирибати (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit - Public Health Laboratory (MDU-PHL)	136	0	0,0
Республика Конго (стабилизация заболеваемости)	Institute of Tropical Medicine	216	0	0,0
Республика Мадагаскар (стабилизация заболеваемости)	Virology Unit, Institut Pasteur de Madagascar	57	0	0,0
Республика Никарагуа (стабилизация заболеваемости)	MSHS Pathogen Surveillance Program, CNDR, Departamento de Virología	335	0	0,0
Республика Сальвадор (стабилизация заболеваемости)	Genomics and Proteomics Department, Gorgas Memorial Institute For Health Studies	618	0	0,0
Республика Чад (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Genomics Lab, National Institute for Biomedical Research (INRB),	28	0	0,0
Реюньон (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	12132	0	0,0
Россия (стабилизация заболеваемости)	WHO National Influenza Centre Russian Federation. Center for Precision Genome Editing and Genetic Technologies for Biomedicine, Pirogov Medical University, Moscow, Russian Federation. Federal Budget Institution of Science, State Research Center for Applied	53976	0	0,0

	Microbiology & Biotechnology. Group of Genetic Engineering and Biotechnology, Federal Budget Institution of Science 'Central Research Institute of Epidemiology' of The Federal Service on Customers' Rights Protection and Human Well-being Surveillance. State Research Center of Virology and Biotechnology VECTOR, Department of Collection of Microorganisms.			
Руанда (стабилизация заболеваемости)	GIGA Medical Genomics	205	0	0,0
Румыния (стабилизация заболеваемости)	National Institute of Infectious Diseases–Prof. Dr. Matei Bals Molecular Diagnostics Laboratory	12360	0	0,0
Самоа		169	0	0,0
Саудовская Аравия (стабилизация заболеваемости)	Infectious Diseases, King Faisal Hospital Research Center	1607	0	0,0
Северная Македония (стабилизация заболеваемости)	Institute of Public Health of Republic of North Macedonia Laboratory of Virology and Molecular Diagnostics	434	0	0,0
Северные Марианские острова (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	2095	0	0,0
Сейшелы (стабилизация заболеваемости)	KEMRI– Wellcome Trust Research Programme, Kilifi	619	0	0,0
Сенегал (стабилизация заболеваемости)	IRESSEF GENOMICS LAB	1781	0	0,0
Сент–Винсент и Гренадины (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	107	0	0,0
Сент–Китс и Невис (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	22	0	0,0
Сент–Люсия (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences	220	0	0,0

Сербия (стабилизация заболеваемости)	Institute of microbiology and Immunology, Faculty of Medicine, University of Belgrade	1686	0	0,0
Сингапур (стабилизация заболеваемости)	National Public Health Laboratory, National Centre for Infectious Diseases	36655	49	100,0
Сен-Мартин (стабилизация заболеваемости)	Institut Pasteur	303	0	0,0
Синт-Мартен (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	922	0	0,0
Сирия (стабилизация заболеваемости)	CASE-2021-0266829	91	0	0,0
Словакия (стабилизация заболеваемости)	Faculty of Natural Sciences, Comenius University	28832	0	0,0
Словения (стабилизация заболеваемости)	Institute of Microbiology and Immunology, Faculty of Medicine, University of Ljubljana	37927	2	100,0
Соломоновы острова (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit - Public Health Laboratory (MDU-PHL)	247	0	0,0
Сомали (стабилизация заболеваемости)	National Public Health Lab- Mogadishu	11	0	0,0
Судан (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service	208	0	0,0
Суринам (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	154	0	0,0
США (стабилизация заболеваемости)	Colorado Department of Public Health & Environment. Maine Health and Environmental Testing Laboratory. California Department of Public Health. UCSD EXCITE.	2710629	1229	99,8
Сьерра-Леоне (стабилизация заболеваемости)	Central Public Health Reference Laboratory	1	0	0,0
Таиланд (стабилизация заболеваемости)	COVID-19 Network Investigations(CONI) Alliance	31420	1	100,0
Тайвань (стабилизация заболеваемости)	Microbial Genomics Core Lab, National Taiwan University Centers of Genomic and Precision Medicine	4881	54	100,0

Танзания (стабилизация заболеваемости)	Jiaxing Center for Disease Control and Prevention	11	0	0,0
Теркс и Кайкос (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies, St Augustine Campus	17	0	0,0
Тимор-Лешти (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit – Public Health Laboratory (MDU–PHL)	4	0	0,0
Того (стабилизация заболеваемости)	Unité Mixte Internationale TransVIHMI(UMI 233 IRD – U1175 INSERM – Université de Montpellier) IRD(Institut de recherche pour le développement)	539	0	0,0
Тонга		96	0	0,0
Тринидад и Тобаго (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	2822	0	0,0
Тунис (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de linique linique – Institut Pasteur de Tunis	917	3	100,0
Турция (стабилизация заболеваемости)	Ministry of Health Turkey	23249	0	0,0
Уганда (стабилизация заболеваемости)	MRC/UVRI & LSHTM Uganda Research Unit	989	0	0,0
Украина (стабилизация заболеваемости)	Department of Respiratory and other Viral Infections of L.V.Gromashevsky Institute of Epidemiology & Infectious Diseases NAMS of Ukraine, JSC “Farmak”	6373	0	0,0
Узбекистан (стабилизация заболеваемости)	Center for Advanced Technologies	90	0	0,0
Уругвай (стабилизация заболеваемости)	Departamento Laboratorios de Salud Pública (DLSP) Ministerio de Salud Pública	311	0	0,0
Федеративные штаты Микронезии (стабилизация заболеваемости)	Pohnpei State Hospital, State Laboratories Division, Hawaii State Department of Health	90	0	0,0
Филиппины (стабилизация заболеваемости)	Philippine Genome Center	16308	0	0,0

Финляндия (стабилизация заболеваемости)	Department of Virology, Faculty of Medicine, University of Helsinki	26431	10	100,0
Франция (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	408053	8	100,0
Французская Гвиана (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	2064	0	0,0
Французская Полинезия (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	13	0	0,0
Хорватия (стабилизация заболеваемости)	Croatian Institute of Public Health	26140	0	0,0
ЦАР (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Sequencing Lab, National Institute for Biomedical Research(INRB)	86	0	0,0
Черногория (стабилизация заболеваемости)	Charité Universitätsmedizin Berlin, Institut für Virologie	603	0	0,0
Чехия (стабилизация заболеваемости)	The National Institute of Public Health	34493	0	0,0
Чили (стабилизация заболеваемости)	Instituto de Salud Publica de Chile	29300	0	0,0
Швейцария (стабилизация заболеваемости)	Department of Biosystems Science and Engineering, ETH Zürich.	58315	0	0,0
Швеция (стабилизация заболеваемости)	The Public Health Agency of Sweden	131598	67	100,0
Шри-Ланка (стабилизация заболеваемости)	Centre for Dengue Research and AICBU, Department of Immunology and Molecular Medicine	1192	0	0,0
Эквадор (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional de Investigación en Salud Pública, INSPI	7119	0	0,0
Экваториальная Гвинея (стабилизация заболеваемости)	Swiss Tropical and Public Health Institute	2	0	0,0

Эсватини (стабилизация заболеваемости)	Nhlangano Health Centre(National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service)	766	0	0,0
Эстония (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Communicable Diseases(Estonia); Eurofins Genomics Europe Sequencing GmbH	6252	0	0,0
Эфиопия (стабилизация заболеваемости)	International Centre for Genetic Engineering and Biotechnology(ICGEB) and ARGO Open Lab for Genome Sequencing	272	0	0,0
ЮАР (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform.	28182	0	0,0
Южная Корея (стабилизация заболеваемости)	Division of Emerging Infectious Diseases, Bureau of Infectious Diseases Diagnosis Control, Korea Disease Control and Prevention Agency	165379	21	100,0
Южный Судан (стабилизация заболеваемости)	MRC/UVRI & LSHTM Uganda Research Unit, South Sudan Ministry of Health, WHO South Sudan	28	0	0,0
Ямайка (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	3432	0	0,0
Япония (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Genomics Center, National Institute of Infectious Diseases	475579	99	97,1

Эпидемиологическое обновление ВОЗ № 167 от 17 мая 2024г.

Варианты SARS-CoV-2, вызывающие интерес и варианты, находящиеся под наблюдением

Географическое распространение и распространенность

Во всем мире в течение 28-дневного периода с 1 по 28 апреля 2024 года, 12 024 последовательности SARS-COV-2 были представлены в GISAID. Для сравнения, в два предыдущих 28-дневных периода было 24 317 и 42 030, соответственно. Данные периодически ретроспективно обновляются, чтобы включить последовательности с более ранними датами сбора, поэтому количество материалов в определенный период времени может измениться.

В таблице 4 показано количество стран, сообщающих о VOIs и VUMs, и их распространенность на эпидемиологической неделе 14 (с 1 по 7 апреля 2024 года) до 17 недели (с 22 до 28 апреля 2024 года).

VOIs и VUMs, демонстрирующие тенденции к росту, выделены желтым цветом, те, которые остались стабильными, выделены синим цветом, а те, у кого тенденции к снижению, выделены зеленым.

Во всем мире JN.1 является наиболее зарегистрированным VOI (в настоящее время сообщается в 130 странах), приходится на 54,3% последовательностей на 17 неделе и снизившись с распространенности 69,0% на 14 -й неделе (рис. 10, таблица 4). Его родительская линия, BA.2,86, продолжает снижаться в распространенности, которая составляет 0,5% на 17-й неделе по сравнению с 0,8% на 14-й неделе (рис. 10, таблица 4). Обновленная оценка риска для JN.1 была опубликована 15 апреля 2024 года, причем общий риск для общественного здоровья остается низким на глобальном уровне на основе недавно собранных данных.

Другие VOIs, XBB.1.5, XBB.1.16 и EG.5, либо снизились, либо были стабильны в глобальной распространенности в течение того же периода: XBB.1.16 не имел зарегистрированных последовательностей на 17-й неделе, XBB.1.5 также не был зарегистрирован на 17 -й неделе, что на 0,1% на 14 неделе (рис. 10, таблица 4).

Четыре потомка JN.1, JN.1., Jn.1.18, KP.2 и KP.3 были перечислены как VUMs 3 мая 2024 года на основе их генетического профиля, распространенности и преимуществ роста во всем мире и по регионам ВОЗ. KP.2 составил 9,6% последовательностей на 17 неделе по сравнению с 6,4% на 14-й неделе, на KP.3 пришлось 20,0% последовательностей на 17-й неделе по сравнению с 3,5% на 14-й неделе, JN.1.7 приходилось 8,8% последовательностей в неделю 17 по сравнению с 9,2% на 14-й неделе, а JN.1.18 составлял 0,8% последовательностей на 17-й неделе по сравнению с 3,1% на 14 -й неделе.

Достаточные данные секвенирования для расчета распространенности варианта на региональном уровне в течение 14-17 недель были доступны в трех регионах: регион Америки, регион Западной части Тихого океана и Европейский регион (Таблица 5). Среди VOI, JN.1 был наиболее зарегистрированным вариантом и демонстрировал тенденцию к снижению во всех трех регионах. Другие VOI во всех

трех регионах демонстрировали тенденцию к снижению. Для Vums KP.2 и KP.3 показали тенденции к росту, тогда как JN.1.7 и JN.1.18 показали тенденции к снижению в трех областях.

С уменьшением скоростей тестирования и секвенирования во всем мире (рис. 10) все более сложно оценить влияние появляющихся вариантов SARS-CoV-2 на тяжесть течения болезни. В настоящее время не существует зарегистрированных лабораторных или эпидемиологических отчетов, указывающих на какую-либо связь между VOI/VUM и повышенной тяжестью заболевания. Как показано на рисунке 9 и на рисунке 10, низкие и непредвиденные уровни геномного наблюдения SARS-CoV-2 продолжают создавать проблемы при адекватной оценке ландшафта вариантов.

Таблица 4/ Еженедельная распространенность VOI и VUM SARS-CoV-2, с 14 по 17 неделю 2024 г.

Lineage*	Countries§	Sequences§	2024-14	2024-15	2024-16	2024-17
VOIs						
XBB.1.5	144	379340	0.1 -		0.1 -	
XBB.1.16	132	127947	0.1	0.1 -		
EG.5	112	219047	1.3	0.3	0.2 -	
BA.2.86	94	22737	0.8	0.4	0.4	0.5
JN.1	130	189395	69.0	67.0	61.2	54.3
VUMs						
JN.1.7	58	5977	9.2	8.4	7.1	8.8
KP.2	27	1670	6.4	9.6	13.4	9.6
KP.3	20	830	3.5	5.9	11.2	20.0
JN.1.18	61	2275	3.1	2.8	1.6	0.8
Unassigned	75	30077	0.1	0.1 -		

§ Количество стран и последовательности указаны с момента появления вариантов. * Включает потомки, за исключением тех, которые индивидуально указаны в других местах таблицы. Например, JN.1* не включает JN.1.7, JN.1.18, KP.2 и KP.3.

Таблица 5 Еженедельная распространенность VOI и VUM SARS-CoV-2 по регионам ВОЗ, с 14 по 17 неделю 2024 г.

Lineage* (week 14-2024 to 17-2024)	AMR	AFR [†]	EMR [‡]	EUR	SEAR [§]	WPR
VOIs						
XBB.1.5	↓			↓		↓
XBB.1.16	↓			↓		↓
EG.5	↓			↓		↓
BA.2.86	↓			↓		↓
JN.1	↓			↓		↓
VUMs						
JN.1.7	↓			↓		↓
KP.2	↑			↑		↑
KP.3	↑			↑		↑
JN.1.18	↓			↓		↓

↑ Increasing trend
↓ Decreasing trend
↔ Stable trend

Insufficient Data
Most Prevalent variant(s)

Рисунок 9. Глобальная 28-дневная распространенность ХВВ.1.5, ХВВ.1.16, EG.5, ВА.2.86 и JN.1, с 1 по 28 апреля 2024 г.*

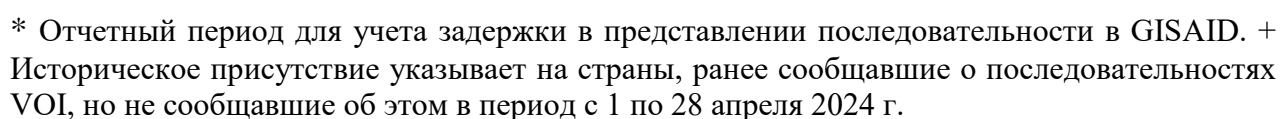
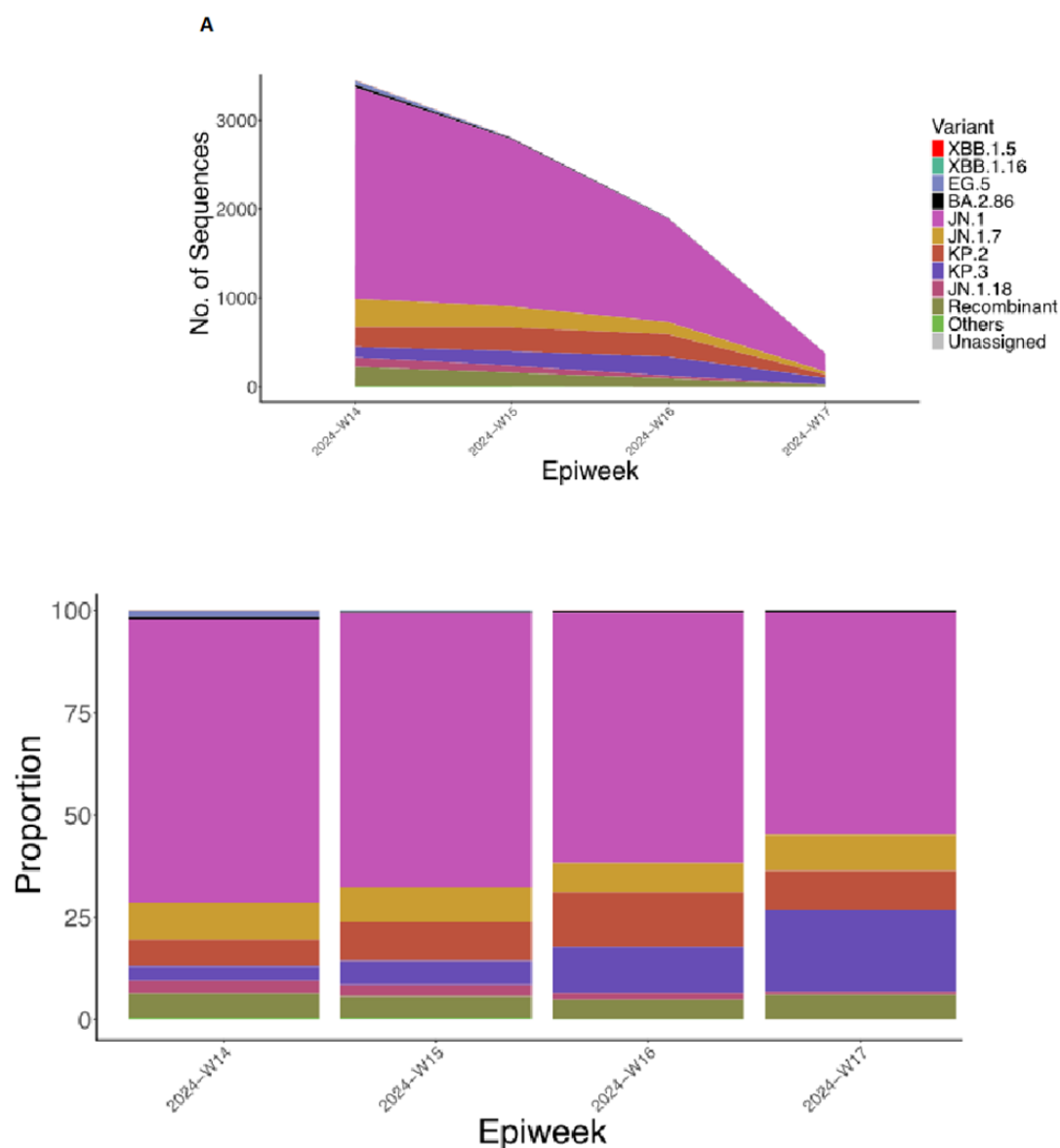


Рисунок 10. Количество (А) и процент (В) последовательностей SARS-CoV-2 с 1 по 28 апреля 2024 г.



На панели А показано количество, а на панели В — процент всех вариантов, циркулировавших с 1 по 28 апреля 2024 года. Показанные здесь варианты включают дочерние линии, за исключением перечисленных здесь потомков. Категория «Неназначенные» включает линии, ожидающие присвоения названия линии PANGO, «Рекомбинантные» включает все рекомбинантные линии SARS-CoV-2, не перечисленные здесь, а категория «Другие» включает линии, которые назначены, но не перечислены здесь. Источник: данные о последовательности SARS-CoV-2 и метаданные GISAID за период с 1 по 28 апреля 2024 г., загружено 13 мая 2024 г.

Публикации:

1. ACS Sens. 2024 May 22.

doi: 10.1021/acssensors.3c02734. Online ahead of print.

Identifying SARS-CoV-2 Variants Using Single-Molecule Conductance

Measurements

Определение вариантов SARS-COV-2 с использованием измерений проводимости в одной молекуле

[Zahra Aminiranjbar](#), [Caglanaz Akin Gultakti](#), [Mashari Nasser Alangari](#) и др.

Глобальная пандемия COVID-19 подчеркнула необходимость быстрого, надежного и эффективного обнаружения биологических агентов и необходимости отслеживания изменений в генетическом материале, когда появляются новые варианты SARS-COV-2. Показано, что эксперименты по проводимости на основе РНК могут использоваться для определения конкретных вариантов SARS-COV-2. С этой целью (i) выбирают целевые последовательности, представляющие интерес для конкретных вариантов, (ii) используют измерения разрыва с одной молекулой для получения гистограмм проводимости для каждой последовательности и ее потенциальных мутаций, и (iii) используют классификатор машинного обучения XGBOOST для быстрого выявления наличия молекул-мишеней в растворе с ограниченным количеством трассов проводимости. Этот подход обеспечивает высокую специфичность и чувствительность обнаружения последовательностей РНК мишеней менее 20 пар оснований в длину, используя комплементарный зонд ДНК, способный связываться с конкретной мишенью. Авторы используют этот подход для непосредственного обнаружения вариантов SARS-COV-2, B.1.1.7 (Alpha), B.1.351 (Beta), B.1.617.2 (Delta) и B.1.1.529 (Omicron). Показано, что специфическая проводимость последовательности чувствительна к несоответствиям нуклеотидов, что расширяет возможности идентификации. Таким образом, эта экспериментальная методология обнаруживает конкретные варианты SARS-COV-2, а также распознает появление новых вариантов по мере их возникновения.

2. Biochem Biophys Res Commun. 2024 May 14:719:150120.

doi: 10.1016/j.bbrc.2024.150120. Online ahead of print.

Mutations in the SARS-cov-2 spike proteins affected the ACE2-binding affinity during the development of omicron pandemic variants

Мутации в белках SARS-COV-2 влияли на аффинность связывания ACE2, в процессе эволюции пандемических вариантов Omicron

[Kouichi Tachibana](#), [Yoshihiko Nakamura](#), [Thi Ly Do](#) и др.

Мутации SARS-COV-2 вызывали множественные волны пандемии. Чтобы идентифицировать функцию таких мутаций, исследовали аффинность связывания белка S с рецептором ACE2. Omicron BA.1 показал значительно более низкую аффинность связывания с ACE2 человека, чем прототип SARS-COV-2 и альфа-

штамм, что указывает на то, что переход от пре-омикрона к омикрону не был опосредован путем увеличения аффинности с ACE2. Между тем, более поздние варианты Omicron, BA.5 и XBB.1.5, показали значительно более высокую аффинность ACE2-связывания, что позволяет предположить, что увеличение связывания ACE2 может быть вовлечено в «переход подвариантов» у штаммов Omicron. Связывание белка S с ACE2 мыши у вариантов альфа и омикрон позволяет предположить, что ранние штаммы омикрона приобрели свои множественные мутации в организме иных хозяев помимо человека, например мыши.

3. Emerg Microbes Infect . 2024 May 23:2359004.

doi: 10.1080/22221751.2024.2359004. Online ahead of print.

SARS-CoV-2 Omicron BA.2.87.1 Exhibits Higher Susceptibility to Serum Neutralization Than EG.5.1 and JN.1

SARS-COV-2 Omicron BA.2.87.1 демонстрирует более высокую восприимчивость к нейтрализации сывороткой, чем EG.5.1 и JN.1

[Qian Wang](#), [Yicheng Guo](#), [Logan T Schwanz](#) и др.

Поскольку SARS-COV-2 продолжает распространяться и мутировать, отслеживание траектории эволюции вируса и понимание функциональных последствий его мутаций сохраняет актуальность. Авторы охарактеризовали уклонение от антител, взаимодействие с рецептором ACE2 и вирусную инфекционность сильно измененного SARS-COV-2 Omicron субварианта Ba.2.87.1. По сравнению с другими субвариантами Omicron, включая EG.5.1 и нынешний преобладающий JN.1, BA.2.87.1 демонстрирует меньшее уклонение от иммунитета, снижение взаимодействия с вирусными рецепторами и сопоставимую инфекционность в клетках легких Calu-3. Интересно, что две протяженных делеции ($\Delta 15-26$ и $\Delta 136-146$) в N-концевом домене (NTD) белка Spike способствуют незначительному увеличению уклонения от антител, но значительно снижают вирусную инфекционность. В совокупности эти данные подтверждают заявление CDC США о том, что риск для общественного здравоохранения, который представляет BA.2.87.1, представляется низким.