

**Дмитриева Л. Н., Краснов Я. М., Чумачкова Е.А., Осина Н. А.,
Зиминова А.А., Иванова А.В., Карнаухов И. Г., Караваева Т.Б.,
Щербакова С. А., Кутырев В. В**

Распространение вариантов вируса SARS-COV-2, вызывающих интерес (VOI) и находящихся под наблюдением (VUM), на основе количества их геномов, депонированных в базу данных GISAID за неделю с 3 по 9 февраля 2024 г.

*ФКУН Российский научно-исследовательский противочумный институт «Микроб»
Роспотребнадзора, Саратов, Российская Федерация*

В обзоре представлена информация по циркулирующим в настоящее время вариантам вируса SARS-COV-2 Omicron вызывающих интерес (VOI) и находящихся под наблюдением (VUM), геномные последовательности которых размещены в международной базе данных GISAID за неделю с 3 по 9 февраля 2024 г.

По состоянию на 9 февраля 2024 г. в соответствии с классификацией ВОЗ к вариантам вируса SARS-COV-2, вызывающих интерес (VOI), отнесены пять субвариантов: XBB.1.5, XBB.1.16, EG.5, BA.2.86 и JN.1. С 29 января 2024 г. в группу циркулирующих вариантов, находящихся под наблюдением (VUM) включены три генетические линии: XBB, XBB.1.9.1, XBB.2.3.

На сегодняшний день в базе данных GISAID всего представлено 16 531 901 геном вируса SARS-COV-2 (за неделю депонировано 17 630 последовательностей). В мире странами – лидерами по количеству депонированных геномных последовательностей вируса SARS-CoV-2 остаются США – (5 051 700 геномов – 30,6% от всех размещенных в GISAID) и Великобритания (3 142 321 геном – 19,0%).

Всего в базу данных GISAID депонировано 9 033 079 геномов варианта Omicron, за анализируемую неделю размещено еще 17 087 геномных последовательностей – 96,9% от всех представленных за текущую неделю геновариантов вируса SARS-CoV-2 (на прошлой неделе – 99,7%). Российскими лабораториями размещено 87 701 геном SARS-COV-2, в том числе варианта Omicron – 52 345 геномных последовательностей.

На сегодняшний день в базе данных GISAID зафиксировано депонирование варианта Omicron из 215 стран и территорий (на предыдущей неделе – 215): Австралия, Австрия, Азербайджан, Албания, Алжир, Американское Самоа, Андорра, Ангола, Антигуа и Барбуда, Ангилья, Аргентина, Армения, Аруба, Афганистан, Бангладеш, Барбадос, Бахрейн, Беларусь, Бельгия, Бермудские Острова, Белиз, Бенин, Болгария, Боливия, Ботсвана, Босния и Герцеговина, Бонайре, Бразилия, Бруней, Британские Виргинские острова, Бутан, Бурунди, Буркина-Фасо, Великобритания, Венесуэла, Венгрия, Виргинские Острова (США), Вьетнам, Гана, Гаити, Гамбия, Гайана, Гваделупа, Гватемала, Гвинея, Германия, Гибралтар, Гондурас, Гонконг, Гренада, Греция, Грузия, Гуам, Габон, Дания, Джибути, Доминиканская Республика, Доминика, ДРК Демократическая

Республика Восточный Тимор, Демократическая Республика Сан-Томе и Принсипи, Египет, Замбия, Зимбабве, Израиль, Индия, Индонезия, Иордания, Ирак, Иран, Ирландия, Исландия, Испания, Италия, Кабо-Верде, Казахстан, Каймановы Острова, Камбоджа, Камерун, Канада, Катар, Кения, Кипр, Китай, Кирибати, Колумбия, Косово, Коста-Рика, Кот-д'Ивуар, Куба, Кувейт, Кыргызстан, Кюрасао, Лаос, Латвия, Либерия, Ливан, Ливия, Лихтенштейн, Литва, Лесото (Королевство Лесото), Люксембург, Мадагаскар, Маврикий, Мавритания, Макао, Малави, Малайзия, Мальдивы, Мальта, Мали, Марокко, Мартиника, Маршалловы Острова, Майотта, Мексика, Мозамбик, Молдова, Монако, Монголия, Монтсеррат, Мьянма, Микронезия, Намибия, Нидерланды, Нигер, Нигерия, Непал, Независимое государство Самоа, Ниуэ, Норвегия, Новая Зеландия, Новая Каледония, Никаргуа, Оман, ОАЭ, Острова Кука, Пакистан, Палестина, Панама, Палау, Парагвай, Папуа Новая Гвинея, Перу, Португалия, Польша, Пуэрто-Рико, Реюньон, Республика Конго, Республика Сейшельские Острова, Республика Гвинея-Бисау, Респблика Вануту, Румыния, Россия, Руанда, Сальвадор, Сен-Мартен, Синт-Мартен, Саудовская Аравия, Северная Македония, Северные Марианские острова, Сенегал, Союз Коморских Островов, Сьерра-Леоне, Словакия, Словения, Сингапур, Сирия, США, Сент-Китс и Невис, Сент-Винсент и Гренадины, Сент-Люсия, Синт-Мартен, Содружество Багамских Островов, Сомали, Судан, Таиланд, Тайвань, Танзания, Теркс и Кайкос, Того, Тонга, Тринидад и Тобаго, Тунис, Турция, Уганда, Узбекистан, Украина, Уругвай, Финляндия, Франция, Французская Гвиана, Французская Полинезия, Филиппины, Хорватия, Черногория, Чехия, Чили, Чад, ЦАР, Швеция, Швейцария, Шри-Ланка, Эквадор, Эстония, Эсватини, Эфиопия, Экваториальная Гвинея, ЮАР, Южная Корея, Южный Судан, Япония, Ямайка.

За последние 4 недели 54 страны (25,1%) (за предыдущие – 56 стран (26%)) дополнили данные о депонировании геномных последовательностей Omicron в GISAID. Динамика распространения в мире субвариантов Omicron секвенированных и загруженных в базу данных GISAID представлена на рисунке 1. Среди циркулирующих в настоящее время штаммов SARS-CoV-2 в мире доминируют три сублинии варианта BA.2.86: JN.1 (+ 2,92% за последнюю неделю), JN.1.4 (+ 2,58%), JN.1.1 (- 0,54%).

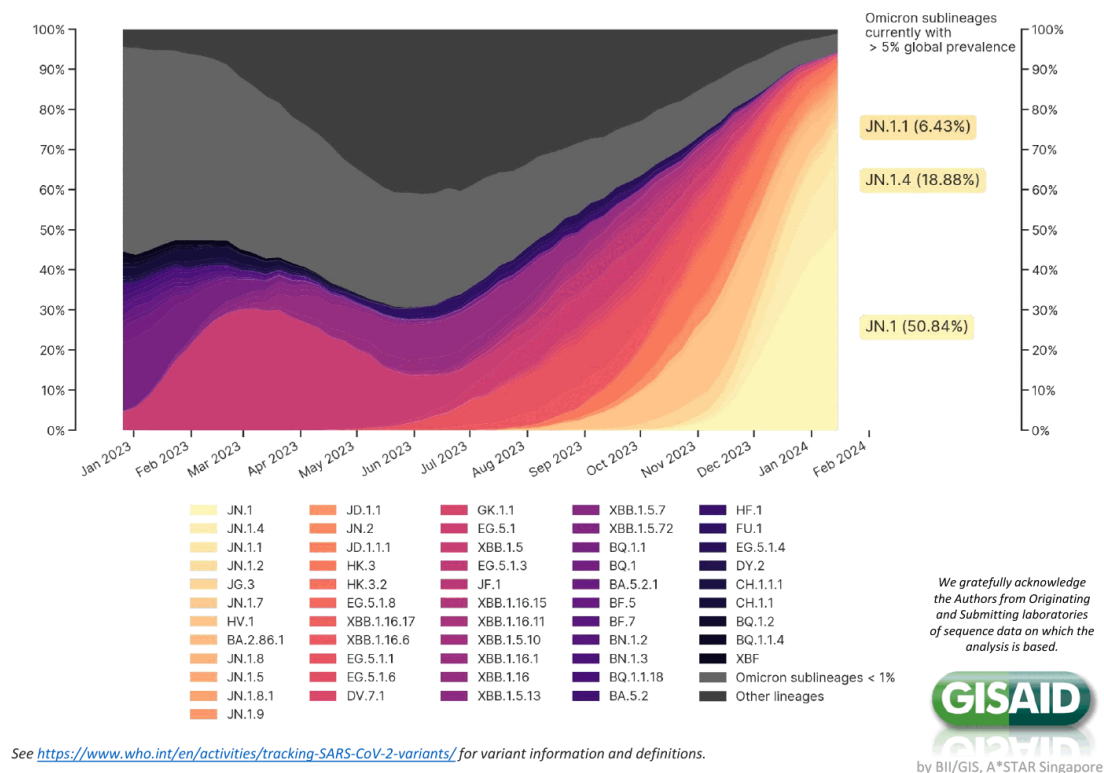


Рисунок 1. Распространение субвариантов Omicron в мире (по состоянию на 06.02.2024 г.)

Генетическое разнообразие циркулирующих в регионах мира субвариантов Omicron за последние 4 недели показано на рисунке 2. На прошедшей неделе во всех регионах преобладал субвариант JN.1, удельный вес которого среди циркулирующих штаммов составлял от 37,93% в Азии до 55,32% в Европе.

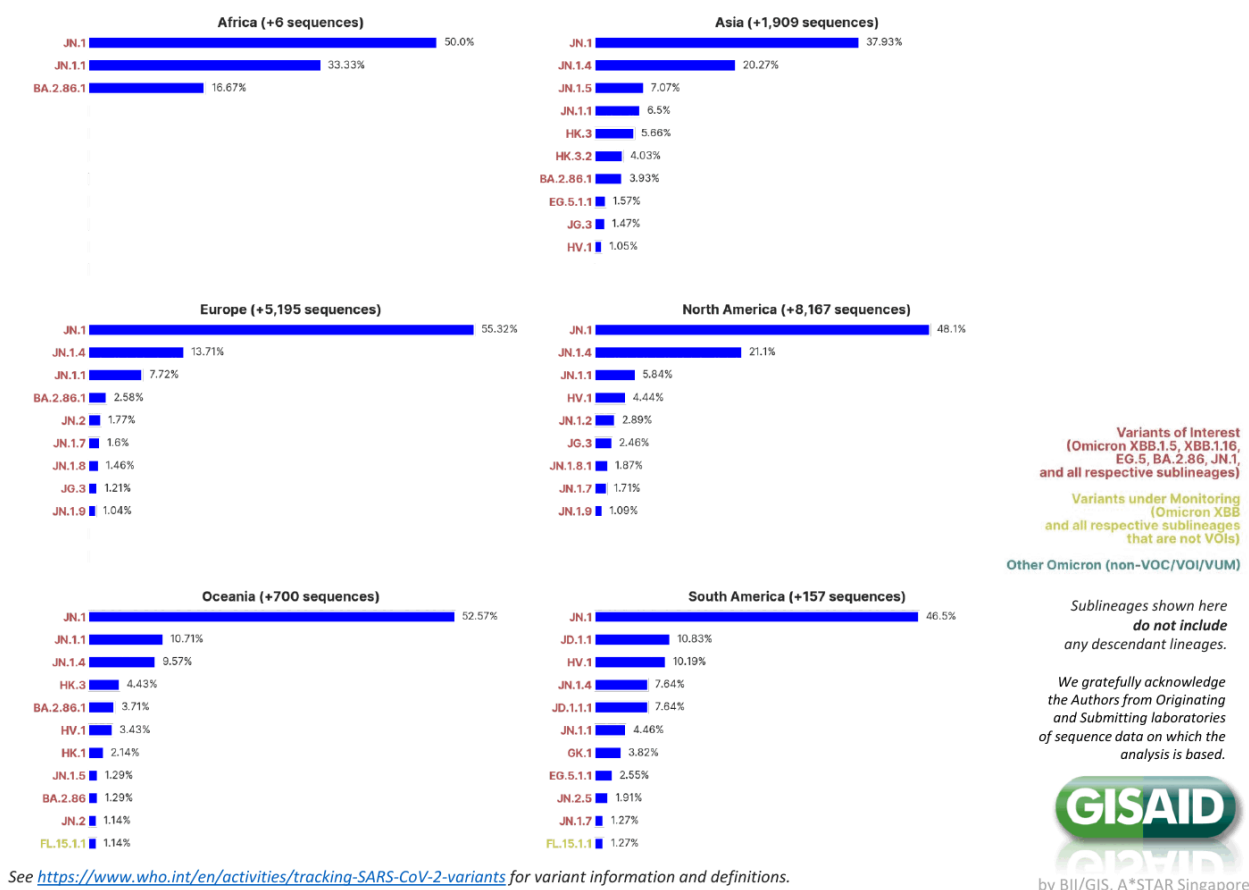
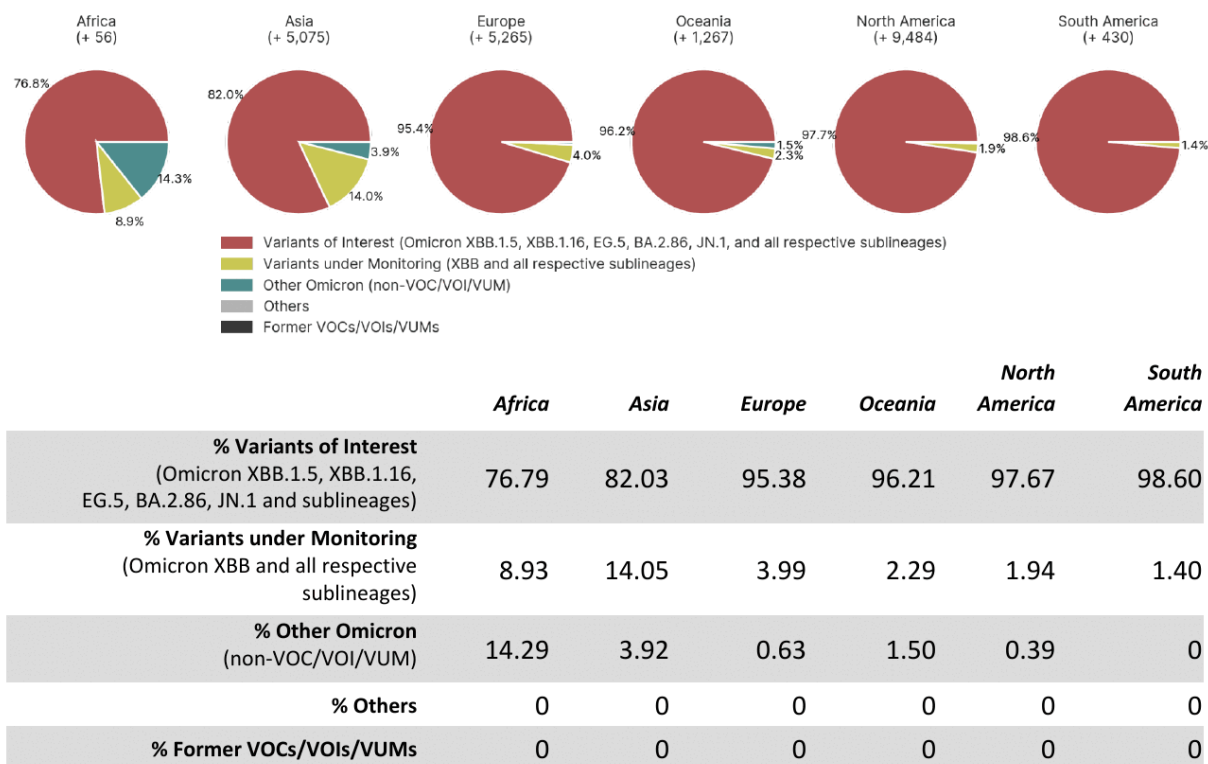


Рисунок 2. Распространение субвариантов Omicron в регионах мира за последние 4 недели (с 9 января по 6 февраля 2024 г.)

За последнюю неделю распространенность вариантов VOI в мире остается доминирующей: в Южной Америке – 98,6%, в Северной Америке – 97,7%, в Тихоокеанском регионе – 96,2%, в Европе – 95,4%, в Азии – 80,2%, в Африке – 76,8% (рис. 3).



This slide shows NEW data in GISAID on 2024-02-06 submitted since last report 7 days ago
(new by submission date, not collection date)
See <https://www.who.int/en/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants/> for variant information and definitions

We gratefully acknowledge
the Authors from Originating
and Submitting laboratories
of sequence data on which the
analysis is based.



Рисунок 3. Распространение субвариантов Omicron в регионах мира, секвенированных за последнюю неделю (по состоянию на 6 февраля 2024 г.)

Варианты, вызывающие интерес (VOI)

По состоянию на 9 февраля 2024 г. отмечено снижение распространения субвариантов XBB.1.5 (с 2,5% на предыдущей неделе – до 1,95 % на текущей неделе), XBB.1.16 (с 1,4% до 0,9 %), EG.5 (с 13,4% до 10,7 %), BA.2.86 (с 5% до 4,6%).

В базу данных GISAID EpiCoV последовательности, относящиеся к XBB.1.5 (Kraken) депонированы из 142 стран. За последние 4 недели лабораториями 20 стран депонировано 263 секвенированных последовательностей субварианта (США – 34,6%, Канада – 15,9%, Япония – 14,8%).

Субвариант XBB.1.16 (Arcturus) депонирован из 127 стран, за последние 4 недели – 80 штаммов из 10 стран.

Субвариант EG.5 (Eris) секвенирован лабораториями 109 стран (на предыдущей неделе – 105 стран). За последние 4 недели субвариант преимущественно выделяли в Канаде (27,7% от всех EG.5 секвенированных за 4 недели), США (25,6%), Японии (18,2%).

Субвариант BA.2.86 (Pirola) по состоянию на 9 февраля 2024 г. циркулирует в 82 странах. За последние 4 недели в базу данных GISAID депонировано 827 геномных

последовательностей из 32 стран (Великобритания – 22,4%, Канада – 19,6%, Япония – 12,3%, Швеция – 10,3%, США – 10% от всех секвенированных BA.2.86 в этот период).

Геномные последовательности субварианта JN.1 представлены из 103 стран (на прошлой неделе из 97 стран), распространение субварианта увеличилось с 69,3% до 74,4%. За последние 4 недели субвариант преимущественно выделяли в Сингапуре (85%), Великобритании (80%), Испании (76%), Индонезии (71%), Канаде (46%). По данным CDC в США среди секвенированных за последние 2 недели вариантов SARS-CoV-2 удельный вес JN.1 вырос с 84,3% до 93,1% (<https://covid.cdc.gov/covid-data-tracker/#variant-proportions>).

Варианты, находящиеся под наблюдением (VOI)

Субвариант XBB.1.9.1 (Hupregion) секвенирован лабораториями 125 стран. Распространенность варианта в мире составляет 0,8%.

Субвариант XBB.2.3 (Astruc) секвенирован в 118 странах мира с распространенностью 0,9%.

Субвариант XBB (Gryphon) циркулирует в 153 странах. Распространенность субварианта в мире составляет менее 1%.

Информация по обновленным данным о депонированных геномах вируса SARS-CoV-2 варианта **Omicron** (B.1.1.529+BA.*) в базе GISAID дана в таблице 1.

Таблица 1 – Количество депонированных геномов вариантов вируса SARS-CoV-2 Omicron (B.1.1.529+BA.*) в базе GISAID

Страна	Учреждение, проводившее секвенирование	Количество депонированных геномов Omicron (B.1.1.529)	В том числе количество геномов Omicron, депонированных за последние 4 недели (13.01. – 09.02.2024 г.)	Процент геномов, относящихся к варианту Omicron (B.1.1.529), депонированных за последние 4 недели
Австралия (стабилизация заболеваемости)	NSW Health Pathology – Institute of Clinical Pathology and Medical Research; Westmead Hospital; University of Sydney	173717	432	100,0
Австрия (стабилизация заболеваемости)	Bergthaler laboratory, CeMM Research Center for Molecular Medicine of the Austrian Academy of Sciences	194223	63	100,0
Азербайджан (стабилизация заболеваемости)	National Hematology and Transfusiology Center	39	0	0,0
Албания (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Virus Unit, National Infection Service, Public Health England	1018	0	0,0
Алжир (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	693	0	0,0
Американские Виргинские острова (стабилизация заболеваемости)	UW Virology Lab	1451	0	0,0
Американское Самоа (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	138	0	0,0
Ангилья (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	54	0	0,0
Ангола (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform	169	0	0,0
Андорра (стабилизация заболеваемости)	Instituto de Salud Carlos III	323	0	0,0

Антигуа и Барбуда (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies, St Augustine Campus	131	0	0,0
Аргентина (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional Enfermedades Infecciosas C.G.Malbran	1009	7	100,0
Армения (стабилизация заболеваемости)	Institute of Molecular Biology NAS RA, Republic of Armenia, Department of Bioengineering, Bioinformatics Institute and Molecular Biology IBMPh RAU, Republic of Armenia	17	0	0,0
Аруба (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	1060	0	0,0
Афганистан (стабилизация заболеваемости)	Central Public Health Lab	9	0	0,0
Багамские острова (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Respiratory Viruses and Measles, Oswaldo Cruz Institute, FIOCRUZ	97	0	0,0
Бангладеш (стабилизация заболеваемости)	Child Health Research Foundation	2284	15	100,0
Барбадос (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Building 36, First Floor Biochemistry Unit, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	247	0	0,0
Бахрейн (стабилизация заболеваемости)	Communicable Disease Laboratory, Public Health Directorate	7092	0	0,0
Беларусь (стабилизация заболеваемости)	Laboratory for HIV and opportunistic infections diagnosis The Republican Research and Practical Center for Epidemiology and Microbiology(RRPCEM)	120	0	0,0
Белиз (стабилизация заболеваемости)	Texas Children's Microbiome Center	703	0	0,0
Бельгия (рост заболеваемости)	KU Leuven, Rega Institute, Clinical and Epidemiological Virology	99764	0	0,0
Бенин (стабилизация заболеваемости)	Institut für Virologie – Institute of Virology – Charite	518	0	0,0

Бермудские острова (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Virus Unit, National Infection Service, Public Health England	210	0	0,0
Болгария (стабилизация заболеваемости)	National Center of Infectious and Parasitic Diseases	7848	0	0,0
Боливия (снижение заболеваемости)	Laboratory of Respiratory Viruses and Measles, Oswaldo Cruz Institute, FIOCRUZ	234	0	0,0
Бонэйр (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	1081	1	100,0
Босния и Герцеговина (стабилизация заболеваемости)	University of Sarajevo, Veterinary Faculty, Laboratory for Molecular Diagnostic and Research Laboratory	263	0	0,0
Ботсвана (стабилизация заболеваемости)	Botswana Institute for Technology Research and Innovation	3455	1	100,0
Бразилия (стабилизация заболеваемости)	Instituto Adolfo Lutz, Interdisciplinary Procedures Center, Strategic Laboratory	121869	117	99,2
Британские Виргинские Острова (стабилизация заболеваемости)	Caribbean Public Health Agency	46	0	0,0
Бруней (стабилизация заболеваемости)	National Public Health Laboratory, National Centre for Infectious Diseases(National Virology Reference Laboratory)	6305	0	0,0
Бутан (стабилизация заболеваемости)	AFRIMS	100	0	0,0
Буркина-Фасо (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire bacteriologie virologie CHUSS	74	0	0,0
Бурунди (стабилизация заболеваемости)	MRC/UVRI & LSHTM Uganda Research Unit, National Institute of Public Health	93	0	0,0
Великобритания (стабилизация заболеваемости)	COVID-19 Genomics UK (COG-UK) Consortium. Wellcome Sanger Institute for the COVID-19 Genomics UK (COG-UK) consortium.	1515063	2771	100,0
Венгрия (стабилизация заболеваемости)	National Laboratory of Virology, Szentágothai Research Centre	577	0	0,0

Венесуэла (стабилизация заболеваемости)	Laboratorio de Virología Molecular	829	0	0,0
Вьетнам (стабилизация заболеваемости)	National Influenza Center, National Institute of Hygiene and Epidemiology(NIHE)	6495	0	0,0
Габон (стабилизация заболеваемости)	Centre de recherches médicales de Lambaré(CERMEL)	2	0	0,0
Гаити (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire National de Santé Publique – LNSP(HAITI – LNSP)	458	0	0,0
Гайана (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	80	0	0,0
Гамбия (стабилизация заболеваемости)	MRCG at LSHTM Genomics lab	333	0	0,0
Гана (стабилизация заболеваемости)	Department of Biochemistry, Cell and Molecular Biology, West African Centre for Cell Biology of Infectious Pathogens(WACCBIP), University of Ghana	2348	0	0,0
Гваделупа (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	696	0	0,0
Гватемала (стабилизация заболеваемости)	Asociación de Salud Integral/Clínica Familiar Luis Ángel García	4044	0	0,0
Гвинея (стабилизация заболеваемости)	Centre de Recherche et de Formation en Infectiologie Guinée	536	0	0,0
Гвинея-Бисау (стабилизация заболеваемости)	MRCG at LSHTM, Genomics lab	20	0	0,0
Германия (стабилизация заболеваемости)	Charité Universitätsmedizin Berlin, Institut für Virologie. Institute of infectious medicine & hospital hygiene, CaSe-Group.	581908	71	100,0
Гибралтар (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Virus Unit, National Infection Service, Public Health England	122	0	0,0
Гондурас (стабилизация заболеваемости)	Genomics and Proteomics Departament, Gorgas Memorial Institute For Health Studies	227	7	100,0
Гонконг (стабилизация заболеваемости)	Hong Kong Department of Health	13852	0	0,0

Гренада	WINDREF/SGU Laboratory	112	2	100,0
Греция (стабилизация заболеваемости)	Greek Genome Center, Biomedical Research Foundation of the Academy of Athens(BRFAA)	25234	0	0,0
Грузия (стабилизация заболеваемости)	Department for Virology, Molecular Biology and Genome Research, R. G. Lugar Center for Public Health Research, National Center for Disease Control and Public Health(NCDC) of Georgia.	2610	1	100,0
Гуам (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	490	0	0,0
Дания (стабилизация заболеваемости)	Albertsen lab, Department of Chemistry and Bioscience, Aalborg University. Department of Virus and Microbiological Special Diagnostics, Statens Serum Institut.	376719	96	100,0
Доминика (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies, St Augustine Campus	10	0	0,0
Доминиканская Республика (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Viruses Branch, Centers for Disease Control and Prevention, USA	2106	31	100,0
Демократическая Республика Конго (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Sequencing Lab, National Institute for Biomedical Research(INRB)	567	0	0,0
ДР Сент Томе и Принсипи (стабилизация заболеваемости)	LNR-TB	1	0	0,0
Египет (стабилизация заболеваемости)	Main Chemical Laboratories Egypt Army	2789	0	0,0
Замбия (стабилизация заболеваемости)	University of Zambia, School of Veterinary Medicine	1268	0	0,0
Зимбабве (стабилизация заболеваемости)	National Microbiology Reference Laboratory(Quadram Institute Bioscience)	316	0	0,0

Израиль (стабилизация заболеваемости)	Central Virology Laboratory, Israel Ministry of Health	120206	427	98,6
Индия (стабилизация заболеваемости)	Department of Neurovirology, National Institute of Mental Health and Neurosciences(NIMHANS).CSIR–Centre for Cellular and Molecular Biology	145250	24	100,0
Индонезия (стабилизация заболеваемости)	National Institute of Health Research and Development	40628	31	100,0
Иордания (стабилизация заболеваемости)	Andersen lab at Scripps Research, CA, USA	244	0	0,0
Ирак (стабилизация заболеваемости)	Biology, College of Education Department of Virology, Faculty of Medicine, University of Helsinki, Helsinki, Finland generated and submitted to GISAID	429	0	0,0
Иран (стабилизация заболеваемости)	National Reference Laboratory for COVID–19, Pasteur Institute of Iran	2852	0	0,0
Ирландия (стабилизация заболеваемости)	National Virus Reference Laboratory	61527	244	100,0
Исландия (стабилизация заболеваемости)	Landspítali Department of Clinical Microbiology	11475	0	0,0
Испания (стабилизация заболеваемости)	Hospital Universitario 12 de Octubre	144282	388	100,0
Италия (стабилизация заболеваемости)	Army Medical Center, Scientific Department, Virology Laboratory	98383	363	100,0
Кабо–Верде (стабилизация заболеваемости)	Institut Pasteur de Dakar	746	0	0,0
Казахстан (стабилизация заболеваемости)	Reference laboratory for the control of viral infections	2837	0	0,0
Камбоджа (стабилизация заболеваемости)	Virology Unit, Institut Pasteur du Cambodge	1999	0	0,0
Камерун (стабилизация заболеваемости)	CREMER(Centre de Recherches sur les Maladies Emergentes et Ré–émergentes)	1320	0	0,0
Канада (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de santé publique du Québec	353990	2841	100,0

Каймановы острова	Cayman Islands Molecular Biology Laboratory	286	0	0,0
Катар (стабилизация заболеваемости)	Biomedical Research Center(BRC), Qatar University / Qatar Genome Project(QGP)	1692	0	0,0
Кения (стабилизация заболеваемости)	KEMRI–Wellcome Trust Research Programme/KEMRI–CGMR–C Kilifi	5747	0	0,0
Кипр (стабилизация заболеваемости)	Department of Molecular Virology, Cyprus Institute of Neurology and Genetics	4425	0	0,0
Китай (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Viral Disease Control and Prevention	66612	98	100,0
Колумбия (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional de Salud– Dirección de Investigación en Salud Pública	15590	0	0,0
Коморские острова (стабилизация заболеваемости)	KEMRI–Wellcome Trust Research Programme/KEMRI–CGMR–C Kilifi	11	0	0,0
Косово (стабилизация заболеваемости)	Charité Universitätsmedizin Berlin, Institut für Virologie	946	3	100,0
Коста-Рика (стабилизация заболеваемости)	Inciensa, Instituto Costarricense de Investigación y Enseñanza en Nutrición y Salud	9831	0	0,0
Кот Д'Ивуар (стабилизация заболеваемости)	Molecular diagnostic unit for viral haemorrhagic fevers and emerging viruses, Bouaké CHU Laboratory	271	0	0,0
Куба (стабилизация заболеваемости)	Respiratory Infections Laboratory	577	0	0,0
Кувейт (стабилизация заболеваемости)	Virology Unit, Department of Microbiology, Faculty of Medicine, Kuwait	996	0	0,0
Кыргызстан (стабилизация заболеваемости)	SRC VB “Vector”, “Collection of microorganisms” Department	45	0	0,0
Кюрасао (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	1297	2	100,0
Лаос (стабилизация заболеваемости)	LOMWRU/Microbiology Laboratory, Mahosot Hospital	981	0	0,0
Латвия (стабилизация заболеваемости)	Latvian Biomedical Research and Study Centre	14445	0	0,0

Лесото (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service	155	0	0,0
Либерия (стабилизация заболеваемости)	Center for Infection and Immunity, Columbia University	33	0	0,0
Ливан (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Molecular Biology and Cancer Immunology, Lebanese University Public Health England	931	0	0,0
Ливия (стабилизация заболеваемости)	Reference Lab for Public Health, NCDC	31	0	0,0
Литва (стабилизация заболеваемости)	Vilnius University Hospital Santaros Klinikos, Center of Laboratory Medicine	12532	0	0,0
Лихтенштейн (стабилизация заболеваемости)	Bergthaler laboratory, CeMM Research Center for Molecular Medicine of the Austrian Academy of Sciences	1383	0	0,0
Люксембург (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire national de santé, Microbiology, Microbial Genomics Platform	37708	1	100,0
Макао (стабилизация заболеваемости)	Centro de Sequenciamento Genômico	1	0	0,0
Маврикий (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	7855	0	0,0
Мавритания (стабилизация заболеваемости)	INRSP-Mauritania	7	0	0,0
Майотта (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	375	0	0,0
Малайзия (стабилизация заболеваемости)	Institute for Medical Research, Infectious Disease Research Centre, National Institutes of Health, Ministry of Health Malaysia	34669	10	100,0
Малави (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform	283	0	0,0
Мали (стабилизация заболеваемости)	Northwestern University – Center for Pathogen Genomics and Microbial Evolution	160	0	0,0
Мальдивы (стабилизация заболеваемости)	Indira Gandhi Memorial Hospital	333	0	0,0

Мальта (стабилизация заболеваемости)	Molecular Diagnostics Pathology Department Mater Dei Hospital Malta	163	0	0,0
Маршалловы острова (стабилизация заболеваемости)	State Laboratories Division, Hawaii State Department of Health	42	0	0,0
Марокко (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de Biotechnologie	1353	0	0,0
Мартиника (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	1547	0	0,0
Мексика (стабилизация заболеваемости)	Instituto de Diagnostico y Referencia Epidemiologicos (INDRE)	46309	1	100,0
Мозамбик (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform, South Africa	740	0	0,0
Молдавия (стабилизация заболеваемости)	ONCOGENE LLC	698	0	0,0
Монако (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	18	0	0,0
Монголия (стабилизация заболеваемости)	National Centre for Communication Disease (NCCD) National Influenza Center	1045	0	0,0
Монтсеррат (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	12	0	0,0
Мьянма (стабилизация заболеваемости)	DSMRC	164	0	0,0
Намибия (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service	826	0	0,0
Непал (стабилизация заболеваемости)	Molecular and Genomics Research Lab, Dhulikhel Hospital, Kathmandu University Hospital School of Public Health, The University of Hong Kong	1301	0	0,0
Нигер (стабилизация заболеваемости)	National Reference Laboratory, Nigeria Centre for Disease Control	128	0	0,0
Нигерия (стабилизация заболеваемости)	African Centre of Excellence for Genomics of Infectious Diseases(ACEGID), Redeemer's University	3221	0	0,0

Нидерланды (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	84408	175	100,0
Ниуэ	Institute of Environmental Science and Research (ESR)	39	0	0,0
Новая Зеландия (стабилизация заболеваемости)	Institute of Environmental Science and Research(ESR)	38738	324	100,0
Новая Каледония (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de Microbiologie Centre Hospitalier Territorial de Nouvelle-Calédonie	70	0	0,0
Норвегия (стабилизация заболеваемости)	Norwegian Institute of Public Health, Department of Virology	35967	29	100,0
ОАЭ (стабилизация заболеваемости)	Wellcome Sanger Institute for the COVID-19 Genomics UK(COG-UK) Consortium	734	0	0,0
Оман (стабилизация заболеваемости)	Oman-National Influenza Center	614	0	0,0
Острова Кука	Institute of Environmental Science and Research (ESR)	189	0	0,0
Пакистан (стабилизация заболеваемости)	Department of Virology, Public Health Laboratories Division	3476	15	100,0
Палау (стабилизация заболеваемости)	Can Ruti SARS-CoV-2 Sequencing Hub (HUGTiP/Ir-siCaixa/IGTP)	74	0	0,0
Палестина (стабилизация заболеваемости)	Biochemistry and Molecular Biology Department-Faculty of Medicine, Al-Quds University	103	0	0,0
Панама (стабилизация заболеваемости)	Gorgas memorial Institute For Health Studies	3301	4	100,0
Папуа Новая Гвинея (стабилизация заболеваемости)	Queensland Health Forensic and Scientific Services	924	0	0,0
Парагвай (стабилизация заболеваемости)	Laboratorio Central de Salud Publica de Paraguay	2253	0	0,0
Перу (стабилизация заболеваемости)	Laboratorio de Referencia Nacional de Biotecnología y Biología Molecular. Instituto Nacional de SaludPerú	38372	1	100,0
Польша (стабилизация заболеваемости)	genXone SA, Research & Development Laboratory	47017	69	100,0
Португалия (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional de Saude(INSA)	24268	0	0,0

Пуэрто Рико (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	18864	17	100,0
Республика Вануату (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit - Public Health Laboratory (MDU-PHL)	100	0	0,0
Республика Джибути (стабилизация заболеваемости)	Naval Medical Research Center Biological Defense Research Directorate	633	0	0,0
Республика Кирибати (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit - Public Health Laboratory (MDU-PHL)	136	0	0,0
Республика Конго (стабилизация заболеваемости)	Institute of Tropical Medicine	216	0	0,0
Республика Мадагаскар (стабилизация заболеваемости)	Virology Unit, Institut Pasteur de Madagascar	57	0	0,0
Республика Никарагуа (стабилизация заболеваемости)	MSHS Pathogen Surveillance Program, CNDR, Departamento de Virología	335	0	0,0
Республика Сальвадор (стабилизация заболеваемости)	Genomics and Proteomics Department, Gorgas Memorial Institute For Health Studies	551	0	0,0
Республика Чад (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Genomics Lab, National Institute for Biomedical Research (INRB),	28	0	0,0
Реюньон (стабилизация заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	12132	0	0,0
Россия (стабилизация заболеваемости)	WHO National Influenza Centre Russian Federation. Center for Precision Genome Editing and Genetic Technologies for Biomedicine, Pirogov Medical University, Moscow, Russian Federation. Federal Budget Institution of Science, State Research Center for Applied Microbiology & Biotechnology. Group of Genetic Engineering and Biotechnology, Federal Budget Institution of Science ‘Central Research Institute of Epidemiology’ of The Federal Service on Customers’ Rights Protection and Human Well-being Surveillance. State Research	52327	21	100,0

	Center of Virology and Biotechnology VECTOR, Department of Collection of Microorganisms.			
Руанда (стабилизация заболеваемости)	GIGA Medical Genomics	197	0	0,0
Румыния (стабилизация заболеваемости)	National Institute of Infectious Diseases–Prof. Dr. Matei Bals Molecular Diagnostics Laboratory	12226	0	0,0
Самоа		169	0	0,0
Саудовская Аравия (стабилизация заболеваемости)	Infectious Diseases, King Faisal Hospital Research Center	1381	0	0,0
Северная Македония (стабилизация заболеваемости)	Institute of Public Health of Republic of North Macedonia Laboratory of Virology and Molecular Diagnostics	408	0	0,0
Северные Марианские острова (стабилизация заболеваемости)	Centers for Disease Control and Prevention Division of Viral Diseases, Pathogen Discovery	2092	0	0,0
Сейшелы (стабилизация заболеваемости)	KEMRI– Wellcome Trust Research Programme, Kilifi	619	0	0,0
Сенегал (стабилизация заболеваемости)	IRESEF GENOMICS LAB	1767	0	0,0
Сент–Винсент и Гренадины (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	107	0	0,0
Сент–Китс и Невис (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	22	0	0,0
Сент–Люсия (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences	220	0	0,0
Сербия (стабилизация заболеваемости)	Institute of microbiology and Immunology, Faculty of Medicine, University of Belgrade	1686	0	0,0
Сингапур (стабилизация заболеваемости)	National Public Health Laboratory, National Centre for Infectious Diseases	35796	549	100,0

Сен-Мартин (стабилизация заболеваемости)	Institut Pasteur	302	0	0,0
Синт-Мартен (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	907	0	0,0
Сирия (стабилизация заболеваемости)	CASE-2021-0266829	88	0	0,0
Словакия (стабилизация заболеваемости)	Faculty of Natural Sciences, Comenius University	28538	4	100,0
Словения (стабилизация заболеваемости)	Institute of Microbiology and Immunology, Faculty of Medicine, University of Ljubljana	37851	74	100,0
Соломоновы острова (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit - Public Health Laboratory (MDU-PHL)	247	0	0,0
Сомали (стабилизация заболеваемости)	National Public Health Lab- Mogadishu	11	0	0,0
Судан (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service	208	0	0,0
Суринам (стабилизация заболеваемости)	National Institute for Public Health and the Environment(RIVM)	154	0	0,0
США (рост заболеваемости)	Colorado Department of Public Health & Environment. Maine Health and Environmental Testing Laboratory. California Department of Public Health. UCSD EXCITE.	2642611	5719	100,0
Сьерра-Леоне (стабилизация заболеваемости)	Central Public Health Reference Laboratory	1	0	0,0
Таиланд (стабилизация заболеваемости)	COVID-19 Network Investigations(CONI) Alliance	30533	30	100,0
Тайвань (стабилизация заболеваемости)	Microbial Genomics Core Lab, National Taiwan University Centers of Genomic and Precision Medicine	4428	7	100,0
Танзания (стабилизация заболеваемости)	Jiaxing Center for Disease Control and Prevention	11	0	0,0

Теркс и Кайкос (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of Preclinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies, St Augustine Campus	17	0	0,0
Тимор-Лешти (стабилизация заболеваемости)	Microbiological Diagnostic Unit – Public Health Laboratory (MDU–PHL)	4	0	0,0
Того (стабилизация заболеваемости)	Unité Mixte Internationale TransVIHMI(UMI 233 IRD – U1175 INSERM – Université de Montpellier) IRD(Institut de recherche pour le développement)	519	0	0,0
Тонга		96	0	0,0
Тринидад и Тобаго (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	2802	0	0,0
Тунис (стабилизация заболеваемости)	Laboratoire de linique linique – Institut Pasteur de Tunis	868	5	100,0
Турция (стабилизация заболеваемости)	Ministry of Health Turkey	22192	0	0,0
Уганда (стабилизация заболеваемости)	MRC/UVRI & LSHTM Uganda Research Unit	822	0	0,0
Украина (стабилизация заболеваемости)	Department of Respiratory and other Viral Infections of L.V.Gromashevsky Institute of Epidemiology & Infectious Diseases NAMS of Ukraine, JSC “Farmak”	5169	4	100,0
Узбекистан (стабилизация заболеваемости)	Center for Advanced Technologies	61	0	0,0
Уругвай (стабилизация заболеваемости)	Departamento Laboratorios de Salud Pública (DLSP) Ministerio de Salud Pública	247	0	0,0
Федеративные штаты Микронезии (стабилизация заболеваемости)	Pohnpei State Hospital, State Laboratories Division, Hawaii State Department of Health	88	0	0,0
Филиппины (стабилизация заболеваемости)	Philippine Genome Center	15923	0	0,0
Финляндия (стабилизация заболеваемости)	Department of Virology, Faculty of Medicine, University of Helsinki	26022	66	100,0

Франция (снижение заболеваемости)	CNR Virus des Infections Respiratoires – France SUD	406140	445	100,0
Французская Гвиана (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	1682	0	0,0
Французская Полинезия (стабилизация заболеваемости)	National Reference Center for Viruses of Respiratory Infections, Institut Pasteur, Paris	13	0	0,0
Хорватия (стабилизация заболеваемости)	Croatian Institute of Public Health	25953	14	100,0
ЦАР (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Sequencing Lab, National Institute for Biomedical Research(INRB)	80	0	0,0
Черногория (стабилизация заболеваемости)	Charité Universitätsmedizin Berlin, Institut für Virologie	576	1	100,0
Чехия (стабилизация заболеваемости)	The National Institute of Public Health	34303	0	0,0
Чили (снижение заболеваемости)	Instituto de Salud Publica de Chile	27496	0	0,0
Швейцария (стабилизация заболеваемости)	Department of Biosystems Science and Engineering, ETH Zürich.	58014	55	100,0
Швеция (стабилизация заболеваемости)	The Public Health Agency of Sweden	130611	565	100,0
Шри-Ланка (стабилизация заболеваемости)	Centre for Dengue Research and AICBU, Department of Immunology and Molecular Medicine	1191	0	0,0
Эквадор (стабилизация заболеваемости)	Instituto Nacional de Investigación en Salud Pública, INSPI	6820	39	100,0
Экваториальная Гвинея (стабилизация заболеваемости)	Swiss Tropical and Public Health Institute	2	0	0,0
Эсватини (стабилизация заболеваемости)	Nhlangano Health Centre(National Institute for Communicable Diseases of the National Health Laboratory Service)	676	0	0,0
Эстония (стабилизация заболеваемости)	Laboratory of Communicable Diseases(Estonia); Eurofins Genomics Europe Sequencing GmbH	6158	0	0,0

Эфиопия (стабилизация заболеваемости)	International Centre for Genetic Engineering and Biotechnology(ICGEB) and ARGO Open Lab for Genome Sequencing	155	0	0,0
ЮАР (стабилизация заболеваемости)	KRISP, KZN Research Innovation and Sequencing Platform.	27777	20	100,0
Южная Корея (стабилизация заболеваемости)	Division of Emerging Infectious Diseases, Bureau of Infectious Diseases Diagnosis Control, Korea Disease Control and Prevention Agency	156930	23	100,0
Южный Судан (стабилизация заболеваемости)	MRC/UVRI & LSHTM Uganda Research Unit, South Sudan Ministry of Health, WHO South Sudan	28	0	0,0
Ямайка (стабилизация заболеваемости)	Carrington Lab, Department of PreClinical Sciences, Faculty of Medical Sciences, The University of the West Indies	3426	0	0,0
Япония (стабилизация заболеваемости)	Pathogen Genomics Center, National Institute of Infectious Diseases	459819	766	100,0

Публикации:

1. Cureus . 2024 Feb 5;16(2):e53654.
doi: 10.7759/cureus.53654. eCollection 2024 Feb.

Temporal dynamics and genomic landscape of sars-cov-2 after four years of evolution

Временная динамика и геномный ландшафт SARS-CoV-2 после четырех лет эволюции

[Abdelmounim Essabbar](#)^{1, 2}, [Safae El Mazouri](#)¹ и др.

В этом исследовании используются передовые методы биоинформатики для оценки временной и региональной геномной эволюции вируса с декабря 2019 года по октябрь 2023 года. В анализ включены 16 575 полных последовательностей SARS-CoV-2, собранных из 214 стран. Эти образцы были подвергнуты сравнительному анализу с подробной характеристикой мутаций, линий, распределения и закономерностей эволюции в течение каждого года с использованием штамма Wuhan-Hu-1 в качестве эталона. Выявлено в общей сложности 21 580 мутаций, которые классифицировали на временные мутации, количество которых уменьшалось с течением времени, и стойкие мутации с постоянно увеличивающейся частотой. Этот ландшафт мутаций привел к заметному скачку скорости эволюции: количество мутаций на образец выросло с 13 в 2020 году до 96 к 2023 году с небольшими географическими вариациями. Филогенетический анализ выявил три отдельные эволюционные ветви, каждая из которых представляет уникальные пути эволюции вируса. Эти линии демонстрировали тенденцию к уменьшению продолжительности доминирования с сокращением периода распространенности с течением времени, поскольку доминирующие линии последовательно заменялись более подходящими вариантами. Примечательно, что за появлением вариантов Альфа и Дельта в 2021 году последовало доминирование вариантов клады Омикрон, которые в 2022 году разветвились на несколько рекомбинантных вариантов, что ознаменовало значительный сдвиг в вирусной среде. Это исследование проливает свет на динамичный характер эволюции SARS-CoV-2, подчеркивая важность непрерывного и бдительного геномного надзора. Доминирование рекомбинантных линий в сочетании с исчезновением местных вариантов подчеркивает адаптивность вируса.

2. J Appl Lab Med. 2024 Feb 6:jfad127.
doi: 10.1093/jalm/jfad127. Online ahead of print.

SARS-CoV-2 Variants Genotyping and Diagnostic Performance of a 2-Genes Detection Assay

Генотипирование вариантов SARS-CoV-2 и диагностическая эффективность метода обнаружения двух генов

[Cyrus Matheka](#)¹, [Joshua Kilonzo](#)¹, [Ephantus Mbugua](#)¹ и др.

Целью этого исследования была оценка эффективности анализа FluoroType® SARS-CoV-2 plus для обнаружения SARS-CoV-2, а также описание обнаружения вариантов

SARS-CoV-2 с использованием набора FluoroType® SARS-CoV-2 varID Q. В исследовании было использовано 679 архивных образцов из носоглотки. Аналитическая эффективность и диагностическая эффективность теста FluoroType® SARS-CoV-2 plus были определены с использованием 320 образцов и эталонного материала. Идентификация вариантов с помощью анализа FluoroType® SARS-CoV-2 varID Q была проведена на 359 образцах. Предел обнаружения FluoroType® SARS-CoV-2 plus составил 1,2 копий/мкл. При идентификации вариантов 12,3%, 49% и более 90% образцов во время волн, вызванных Альфа, Дельта и Омикрон, соответственно, имели обнаруживаемые мутации. Анализ FluoroType® SARS-CoV-2 plus продемонстрировал аналитическую эффективность, сравнимую с эталонным методом, с диагностической чувствительностью и специфичностью >99%. Анализ FluoroType® SARS-CoV-2 varID Q позволил быстро обнаружить циркулирующие варианты.

3. J R Soc Interface . 2024 Feb;21(211):20230614.

doi: 10.1098/rsif.2023.0614. Epub 2024 Feb 7.

Predicting potential SARS-CoV-2 mutations of concern via full quantum mechanical modelling

Прогнозирование потенциальных вызывающих беспокойство мутаций SARS-CoV-2 с помощью полного квантово-механического моделирования

[Marco Zaccaria](#)¹, [Luigi Genovese](#)², [Brigitte E Lawhorn](#)¹, и др.

Авторы моделируют электронную структуру из примерно 13 000 атомов, чтобы предсказать и охарактеризовать связывание шипов вариантов SARS-CoV-2 с рецептором ACE2 человека (hACE2), используя квантовомеханический подход уменьшения сложности (QM-CR). В своем анализе они сравнивали четыре варианта шипов: Ухань, Омикрон и два варианта на основе Омикрона. Чтобы оценить связывание, они механически характеризуют энергетический вклад каждой задействованной аминокислоты и прогнозируют эффект отдельных мутаций одной аминокислоты. Они подтверждают свои вычислительные прогнозы экспериментально, сравнивая эффективность связывания шипов у вариантов с клетками, экспрессирующими hACE2. На момент проведения моделирования (декабрь 2021 г.) мутация A484K, которая, по прогнозам их модели, была очень полезной для связывания ACE2, не была выявлена в эпидемиологических исследованиях; лишь в августе 2023 г. она появилась в варианте BA.2.86. Авторы считают, что их вычислительная модель QM-CR может выявлять мутации, критически важные для межмолекулярных взаимодействий и служащие основой для разработки высокоспецифичных интеракторов.

4. Microbiol Spectr. 2024 Feb 6:e0364523.

doi: 10.1128/spectrum.03645-23. Online ahead of print.

A photocontrolled one-pot isothermal amplification and CRISPR-Cas12a assay for rapid detection of SARS-CoV-2 Omicron variants

Фотоконтролируемая изотермическая амплификация в одном сосуде и анализ CRISPR-Cas12a для быстрого обнаружения вариантов SARS-CoV-2 Omicron.

[Qian Sun](#) ^{# 1}, [Hongqing Lin](#) ^{# 1}, [Yuan Li](#) ¹, и др.

Авторы использовали новую фотоактивируемую стратегию CRISPR-Cas12a, интегрированную с амплификацией рекомбиназной полимеразы (RPA), для разработки теста однопоточного генотипирования RPA/CRISPR-Cas12a для обнаружения сублиний SARS-CoV-2 Omicron. Новая система преодолевает потенциальное ингибирование RPA из-за ранней активации CRISPR-Cas12a и расщепления целевой матрицы в традиционном однопоточном анализе с использованием фоторасщепляемой п-РНК, комплементарной одноцепочечной РНК, которая специфически связывает crРНК и точно блокирует активацию Cas12a. Детекция может быть завершена в одной пробирке при температуре 39 °C в течение 1 часа и имеет низкий предел обнаружения – 30 копий на реакцию. Результаты показали, что фотоконтролируемый однопоточный анализ RPA/CRISPR-Cas12a может эффективно идентифицировать три характерные мутации в шиповом гене варианта Omicron SARS-CoV-2, а именно R346T, F486V и 49X, и отличить Omicron BA.1, подлинии BA.5.2 и BF.7. Кроме того, анализ достиг чувствительности 97,3% и специфичности 100,0% и показал соответствие на 98,3% результатам секвенирования по Сэнгеру.

5. Nat Commun. 2024 Feb 8;15(1):1176.

doi: 10.1038/s41467-024-45274-3.

Virological characteristics of the SARS-CoV-2 Omicron XBB.1.5 variant

Вирусологические характеристики варианта SARS-CoV-2 Omicron XBB.1.5

[Tomokazu Tamura](#) ^{# 1 2 3 4 5 6}, [Takashi Irie](#) ^{# 7}, [Sayaka Deguchi](#) ^{# 8} и др.

Филогенетический анализ показывает, что XBB.1.5 произошел от XBB.1 путем приобретения мутации S486P в spike (S) после приобретения нонсенс-мутации в ORF8. Анализы нейтрализации показали схожие способности к иммунному ускользанию между XBB.1.5 и XBB.1. Определена структурная основа взаимодействия между человеческим ACE2 и белком S XBB.1.5. Продемонстрированы схожие общие структуры между белками S XBB.1 и XBB.1.5. Показана патогенность XBB.1 и XBB.1.5 для хомяков. Отмечено, что нонсенс-мутация ORF8 XBB.1.5 привела к нарушению подавления ГКГ. Эксперименты *in vivo* с использованием рекомбинантных вирусов показывают, что мутации XBB.1.5 способствуют снижению вирулентности XBB.1.5. В совокупности это исследование идентифицирует две вирусные функции, определяющие разницу между XBB.1 и XBB.1.5.

6. Virol Sin. 2024 Feb 3:S1995-820X(24)00010-5.

doi: 10.1016/j.virs.2024.01.010. Online ahead of print.

Quantitative and qualitative subgenomic RNA profiles of SARS-CoV-2 in respiratory samples: a comparison between Omicron BA.2 and non-VOC-D614G

Количественные и качественные профили субгеномной РНК SARS-CoV-2 в образцах дыхательных путей: сравнение Omicron BA.2 и не-VOC-D614G

[Zigui Chen](#) ¹, [Rita Way Yin Ng](#) ¹, [Grace Lui](#) ², и др.

В этом исследовании применялся метод RNA-seq для определения количественных и качественных профилей канонической sgRNA в 118 респираторных образцах, собранных у пациентов, инфицированных Omicron BA.2, в сравнении с 338 пациентами, инфицированными не вызывающим беспокойства вариантом (non-VOC)-D614G. Уникальный характеристический профиль, отражающий относительное содержание 9 канонических sgRNA, воспроизводился как BA.2, так и non-VOC-D614G, независимо от пола хозяина, возраста и наличия пневмонии. Примечательно, что такой профиль был потерян в образцах с низкой вирусной нагрузкой, что предполагает потенциальное применение паттерна sgRNA для указания вирусной активности отдельного пациента в определенный момент времени. Характерный качественный профиль канонических sgRNA также воспроизводился как BA.2, так и non-VOC-D614G. Наличие полного набора канонических sgRNA имело последовательную корреляцию с общей вирусной нагрузкой ($AUC = 0,91$, 95% ДИ 0,88–0,94), а sgRNA ORF7b была признана лучшим суррогатным маркером, допускающим рутинное применение для характеристики статуса инфекции у отдельного пациента.